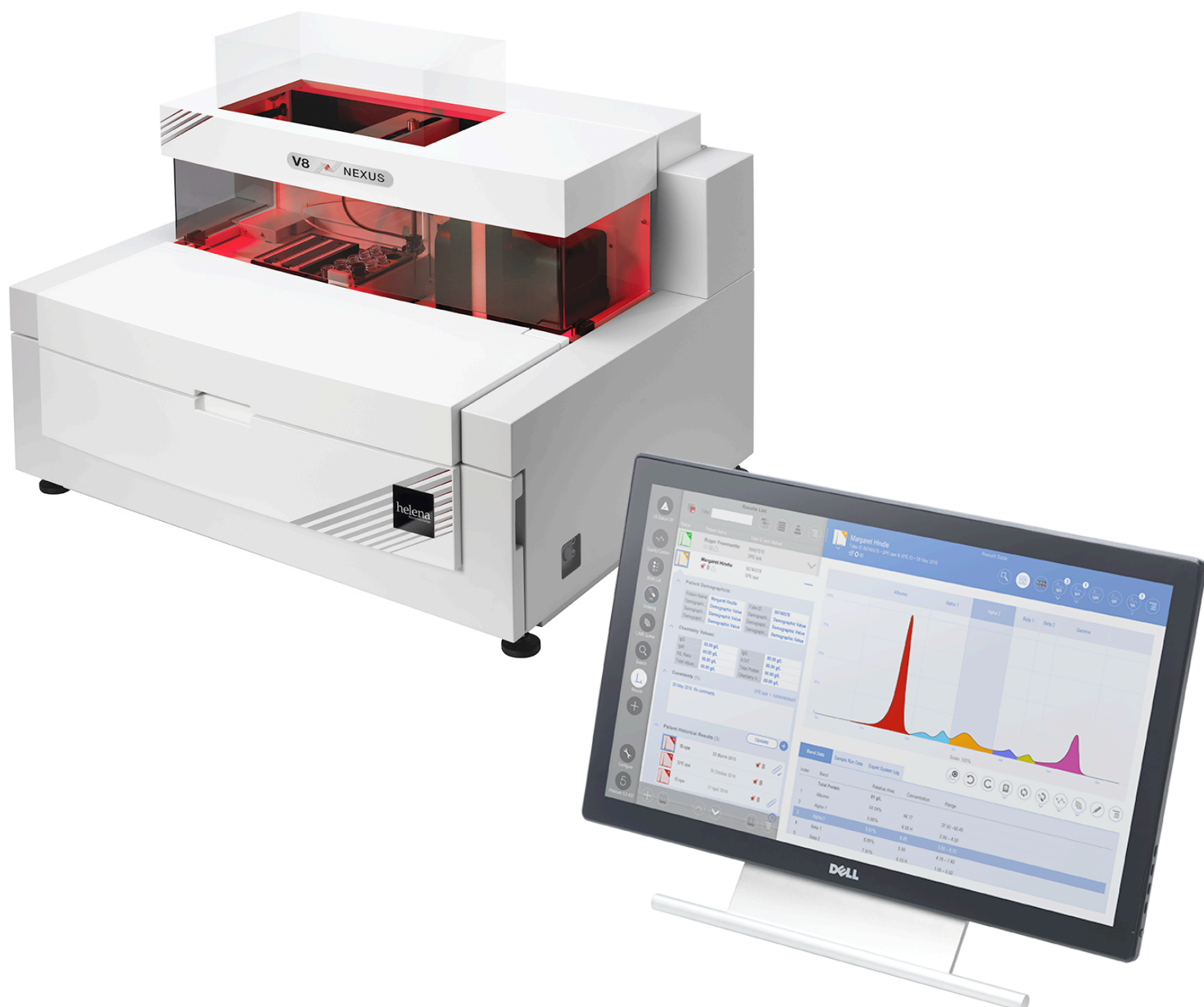


# Platinum 5

## Manuel Utilisateur Touchscreen



# Manuel Utilisateur Touchscreen

## Table des Matières

### **1. Ouvrir le Platinum**

- 1.1 Ecran d'Initialisation
  - 1.1.1 Journal Utilisateur
  - 1.1.2 Options Additionnelles du Journal Utilisateur
  - 1.1.3 Activation du Produit

### **2. Fenêtre Statut du V8**

- 2.1 Avertissements de Statut du Système V8
- 2.2 Définir les Réactifs et Tampons
- 2.3 Vérifier le Niveau des Tampons
- 2.4 Chargement des Réactifs
- 2.5 Journal des Erreurs du V8
- 2.6 Communications du V8
- 2.7 Communications SIL
- 2.8 Diagnostiques
- 2.9 Gestion des Capillaires
- 2.10 Portoirs
  - 2.10.1 Code-barres des Tunes Echantillons
  - 2.10.2 Pour Enlever l'alarme "Code-barres Manquant" dans le Platinum
- 2.11 Messages

### **3. Fenêtre Contrôle Qualité**

- 3.1 Principales Caractéristiques
- 3.2 Navigation dans le Menu Contrôle Qualité
- 3.3 Boutons de la Barre d'Outils
- 3.4 Statut des Icones QC
- 3.5 Entrer l'Identification d'un Lot
- 3.6 Paramètres QC
- 3.7 Comment Remplir le Tableau Levey Jennings
- 3.8 Caractéristiques du Graphique Levey Jennings

### **4. Fenêtre Liste de Travail**

### **5. Fenêtre des Demandes**

- 5.1 Sélectionner la Méthode par Défaut
- 5.2 Demande de Test
  - 5.2.1 Comment Supprimer un test Demandé

### **6. Fichier Tampon vers SIL**

- 6.1 Contrôle des Données vers le SIL
- 6.2 Envoi des Données dans le Fichier Tampon SIL
- 6.3 Visualisation et Validation du Fichier Tampon vers SIL
- 6.4 Envoi des Données Echantillon directement au SIL

### **7. Fenêtre de Recherche**

- 7.1 Recherche des Données
- 7.2 Recherche de Résultats

## **8. Fenêtre de Résultats**

- 8.1 Fenêtre Session Active
- 8.2 Modification
  - 8.2.1 Edition de la Ligne de Base
  - 8.2.2 Edition de Pics
  - 8.2.3 Ajouter une Marque
  - 8.2.4 Supprimer une Marque
  - 8.2.5 Diviser un Pic
  - 8.2.6 Lissage
  - 8.2.7 Filtrage
  - 8.2.8 Fonction Superposition
  - 8.2.9 Superposer une Référence Normale
  - 8.2.10 Superposer des Echantillons à l'Ecran
  - 8.2.11 Alignement des Tracés
  - 8.2.12 Alignement des Tracés pour Superposer les Fractions
- 8.3 Tracés Moyens (Référence moyenne)
- 8.4 Quantification d'une bande d'allure Monoclonale
  - 8.4.1 Pic Horizontal
  - 8.4.2 Ajouter un Clone Horizontal
  - 8.4.3 Clone Vertical
  - 8.4.4 Ajouter un Clone Vertical
  - 8.4.5 Retirer un Clone
- 8.5 Suppression des Artéfacts des Tracés
  - 8.5.1 Suppression de Surface
  - 8.5.2 Correction de Surface
- 8.6 Dérivée Première
- 8.7 Ajouter un Commentaire à un Résultat
  - 8.7.1 Arbre à Commentaires
- 8.8 Rechercher et Lier un Résultat d'Immunotypage
- 8.9 Ajouter une ID à un Echantillon Traité
- 8.10 Comment Réaliser un Test Reflex
  - 8.10.1 Demande Manuelle d'un Test Reflex
  - 8.10.2 Dilution Automatique IFE
    - 8.10.2.1 Utilisation de la Fonction de Dilution Automatique IFE
    - 8.10.2.2 Utiliser la Fonction Auto-dilution IFE avec le Test Reflex
    - 8.10.2.3 Utiliser la fonction automatique IFE avec la Gestion de Test

## **9. Fenêtre de Configuration**

- 9.1 Système V8
  - 9.1.1 Sélectionner le Système V8
  - 9.1.2 Sélectionner le Mode Test du V8
  - 9.1.3 Priorité des Test Reflex
- 9.2 Commentaires
  - 9.2.1 Rédaction des Commentaires Usuel
- 9.3 Base de Données
  - 9.3.1 Sauvgarde de Nouvelles Données
  - 9.3.2 Sauvegarde de Toutes les Données
  - 9.3.3 Archivage de Données Sélectionnées
  - 9.3.4 Compacter la Base de Données
- 9.4 Rapport d'Impression
  - 9.4.1 Création d'un Nouveau Rapport
  - 9.4.2 Comment Créer une Trame
  - 9.4.3 Modifier un Rapport
  - 9.4.4 Aperçu Ecran d'un Rapport
  - 9.4.5 Configuration des Rapports d'Impression par Défaut

- 9.4.6 Configuration des Rapports d'Imression pour les ID
- 9.5 Configurer les Méthodes V8
- 9.6 Méthodes
  - 9.6.1 Régions des Fractions
- 9.7 Statistiques

## **10. Sessions Gel**

- 10.1 Sélectionner le type de Gel
- 10.2 Configuration des Paramètres de Lecture
- 10.3 Sélectionner un Scanner
- 10.4 Numérisation du Platinium
- 10.5 Alignement du Masque de Lecture
- 10.6 Marquage du Gel
- 10.7 Configurer les Gels

## **11. Dictionnaire des Icones du Logiciel**

- 11.1 Icones de la Fenêtre Principale
- 11.2 Icones Générales
- 11.3 Icones de la Page d'Accueil
- 11.4 Icones Statut du V8
- 11.5 Icones Contrôle Qualité
- 11.6 Icones de la Liste de Travail
- 11.7 Icones des Demandes
- 11.8 Icones Fichier Tampon SIL
- 11.9 Icone Recherche
- 11.10 Icones de Résultats/tésultats de Recherche
- 11.11 Icones Autres Résultats
- 11.12 Icones Gel
- 11.13 Icones de Navigation de la Liste de Travail
- 11.14 Icones de Progression

## **Abréviations**

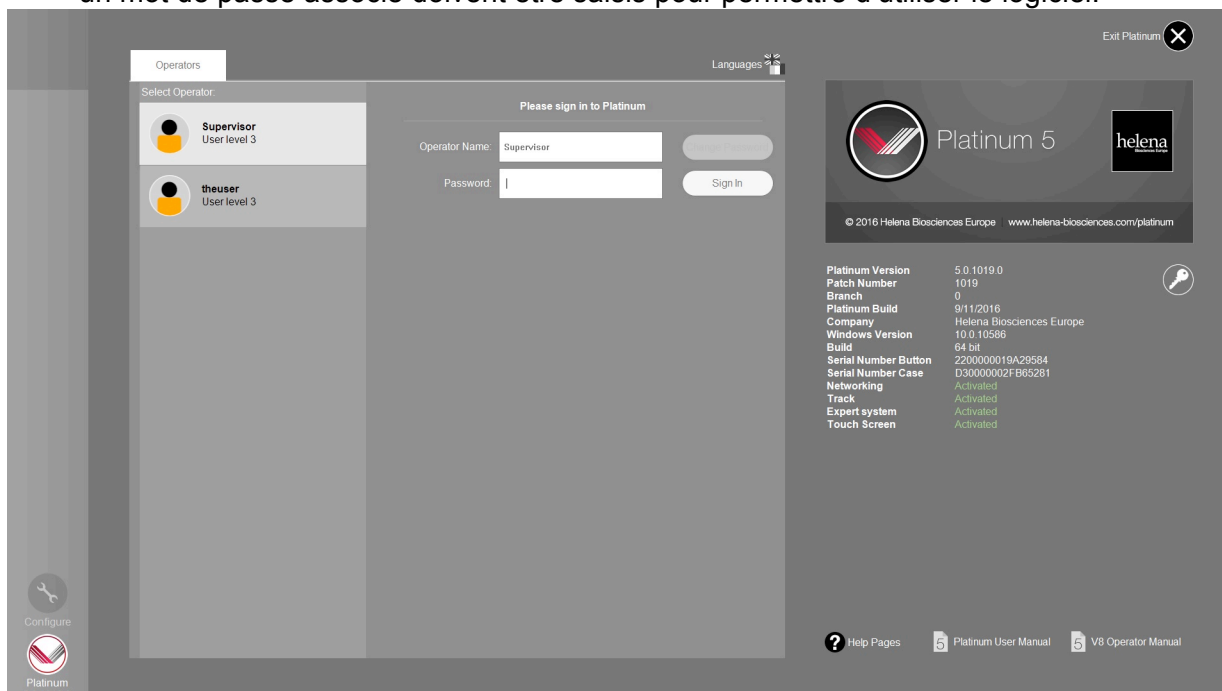
<b>CCE</b>	Clinical Capillary Electrophoresis	<b>ECC</b>	Electrophorèse Capillaire Clinique
<b>CE</b>	Capillary Electrophoresis	<b>EC</b>	Electrophorèse Capillaire
<b>IFE</b>	Immunofixation Electrophoresis	<b>IFE</b>	Immunofixation
<b>MIU</b>	Method in Use	<b>MU</b>	Méthode Utilisée
<b>LIMS</b>	Laboratory Inf.Management System	<b>LIMS</b>	Système Inf.de Gestion de Laboratoire
<b>LIS</b>	Laboratory Information System	<b>SIL</b>	Informatique Centrale du Laboratoire
<b>QC</b>	Quality Control	<b>QC</b>	Contrôle Qualié
<b>NWL</b>	Navigation Work List	<b>NWL</b>	Liste de Travail
<b>ES</b>	Expert System	<b>ES</b>	Système Expert



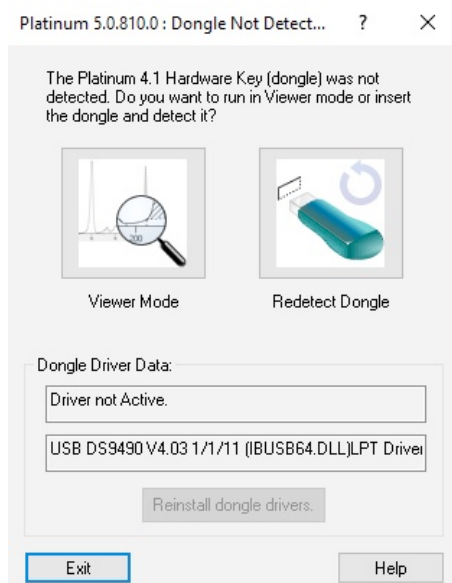
# 1. Ouvrir le Platinum

## 1.1 Ecran d'initialisation

Quand le Platinum est ouvert, l'écran d'initialisation apparaît. Un nom d'utilisateur et un mot de passe associé doivent être saisis pour permettre d'utiliser le logiciel.



Lorsqu'aucun dongle (clé de décodage) n'est lié au logiciel Platinum, ou en cas de soucis de détection de ce dongle, une fenêtre "Dongle Non Détecté" (voir l'image ci-dessous) s'affiche. Dans ce cas, l'utilisateur peut, soit brancher le dongle et sélectionner redétecter dongle, soit réinstaller les pilotes du dongle. Si l'utilisateur ne possède pas de dongle Platinum, il peut continuer à utiliser le logiciel en « Mode Visualisation ». Cela permet à l'utilisateur d'accéder aux archives pour interpréter, éditer les données, mais il ne pourra pas acquérir de nouvelles données, ni ouvrir de nouvelles sessions. En mode de visualisation, l'utilisateur doit se connecter au logiciel de manière habituelle avec ses codes.



### 1.1.1 Journal Utilisateur

Le journal utilisateur enregistre un historique de toutes les actions de chaque opérateur. Cette fonction permet d'identifier toutes les fonctions de visualisation/modification effectuées par un utilisateur pour une période définie.

### 1.1.2 Options Additionnelles du Journal Utilisateur


Imprimer - le tableau peut être imprimé en sélectionnant le bouton Imprimer.

Exporter - Les informations peuvent être sauvegardées dans un fichier .txt en sélectionnant le bouton Exporter et en entrant un nom de fichier et un emplacement dans les cases appropriées de la fenêtre Enregistrer sous.

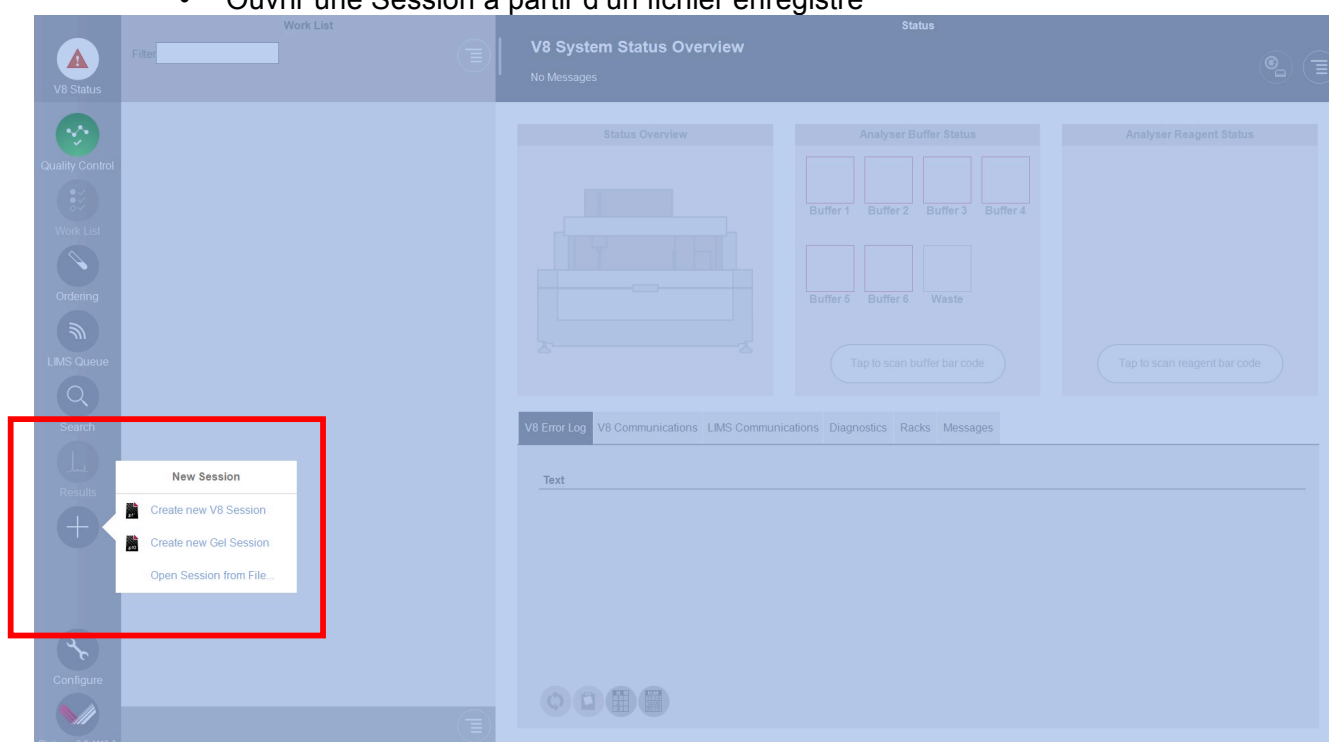
### 1.1.3 Activation du Produit

L'achat du Platinum Plus permettra l'activation de fonctionnalités supplémentaires, y compris réseau, chaîne, système expert et écran tactile. Sélectionner l'icône Activation du produit et entrer le code d'activation pour activer les fonctions achetées.

## 2. Fenêtre Statut du V8

Une fois connecté, le Platinum passera automatiquement à la fenêtre statut du V8, et les icônes apparaîtront sur le côté gauche de l'écran. A partir de là, sélectionner l'icône , vous permettant de sélectionner les options qui déterminent l'action principale de la session :

- Créer une nouvelle session V8
- Créer une nouvelle session Gel
- Ouvrir une Session à partir d'un fichier enregistré



L'icône Statut V8 change en fonction de son état actuel de connexion avec le V8:



Non connecté



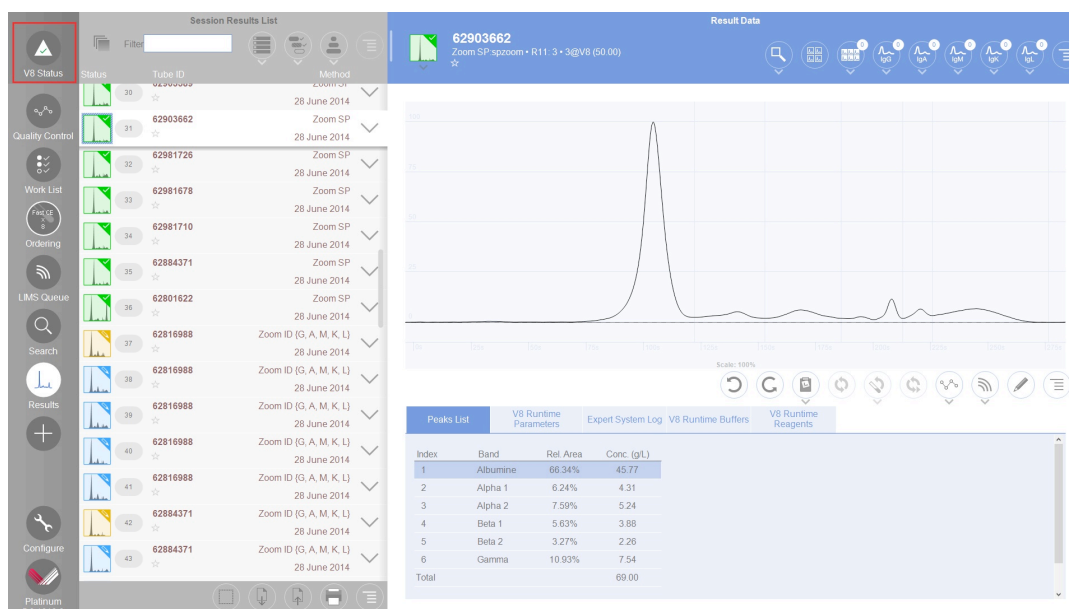
V8 requiert votre attention




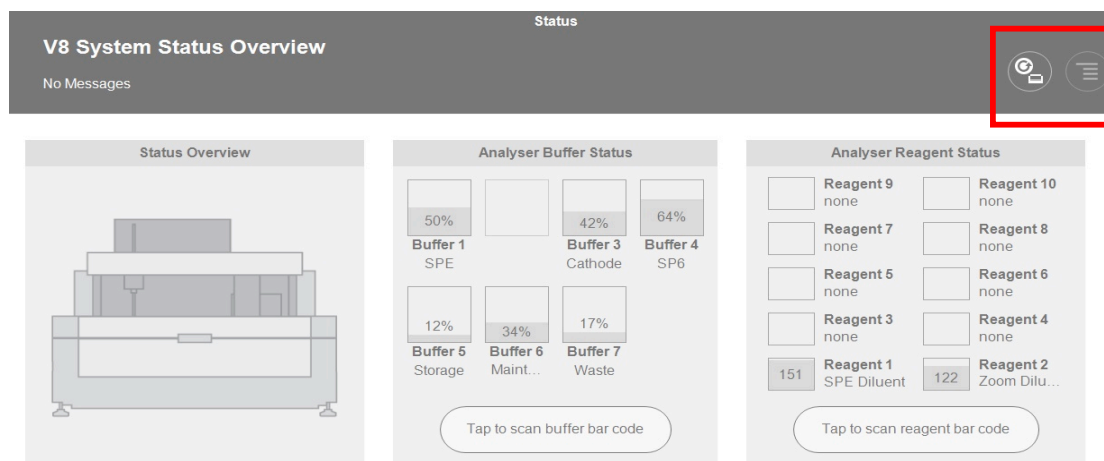
Connecté au V8

Quand la fenêtre statut du V8 apparaît initialement, il n'y a pas de communication avec le V8 jusqu'à ce qu'une nouvelle session ait été lancée. Ceci est indiqué par l'icône statut V8 rouge et aucune information de tampon ou de réactif.

Une fois la connexion établie, l'icône deviendra vert et les informations sur les tampons et réactifs seront disponibles



Suite à une perte de communication entre le Platinum et l'instrument V8, cette fonction réinitialise la communication avec le dernier V8 connecté. Pour réinitialiser la communication, aller sur la fenêtre statut du V8 et sélectionner l'icône  dans le coin supérieur droit :

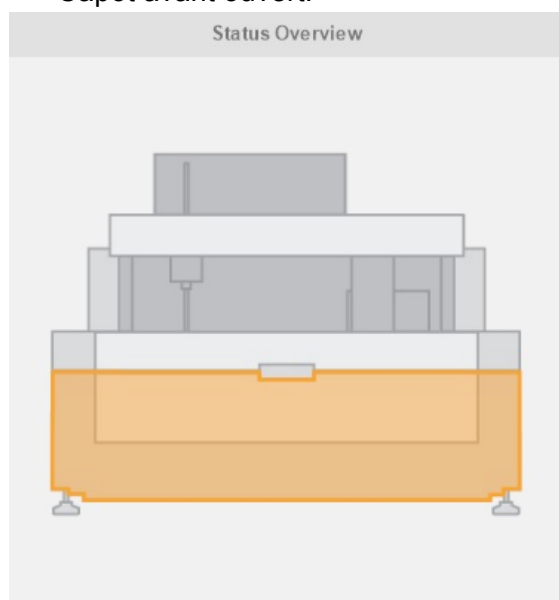


## 2.1 Avertissements et Statut du Système V8

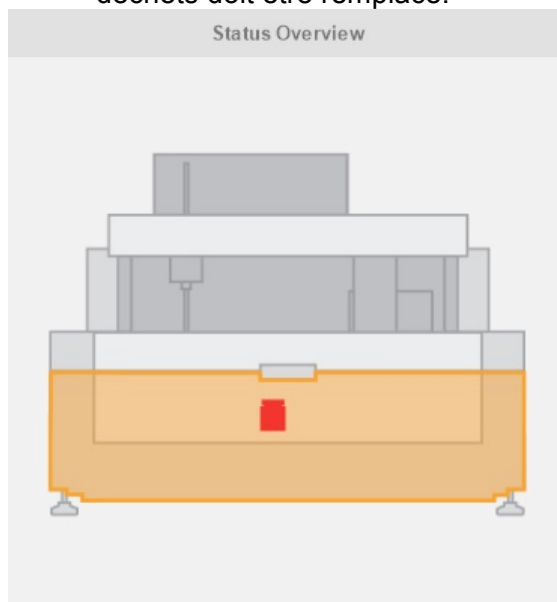
La fenêtre Statut du V8 informe continuellement l'utilisateur sur le statut ou l'action de l'instrument et de tout message d'avertissement ou d'erreur. Toutes les informations concernant le statut de l'instrument peuvent être trouvées ici.

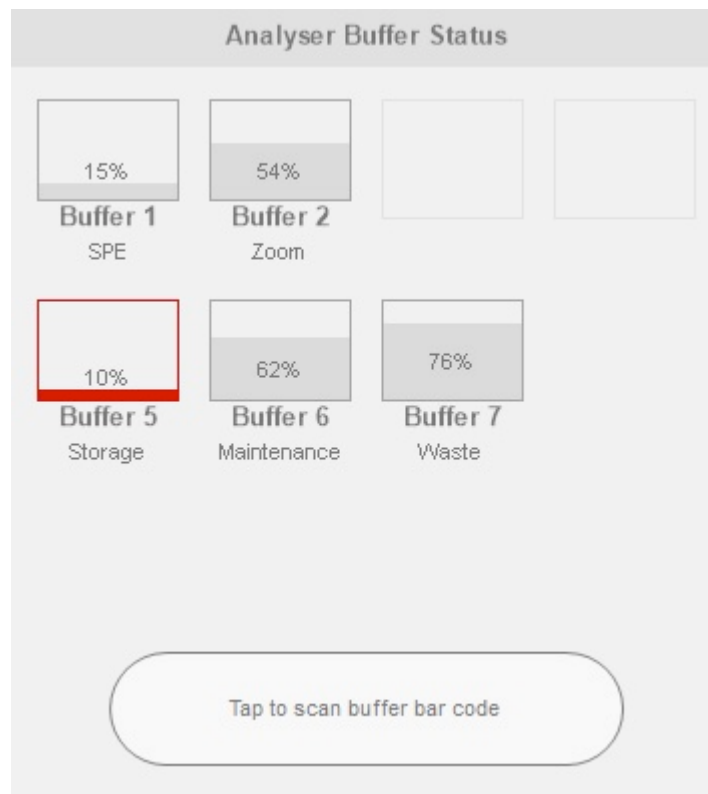
Tout statut du système V8 nécessitant l'attention de l'utilisateur apparaît dans la Vue d'Ensemble du Statut en orange. Tout statut qui nécessite une attention immédiate apparaît en rouge. Quand un tampon passe en dessous des 10% de liquide restant, ou quand un réactif n'a plus de tests restants, ils apparaissent en rouge dans leurs fenêtres de statut respectives.

Capot avant ouvert:

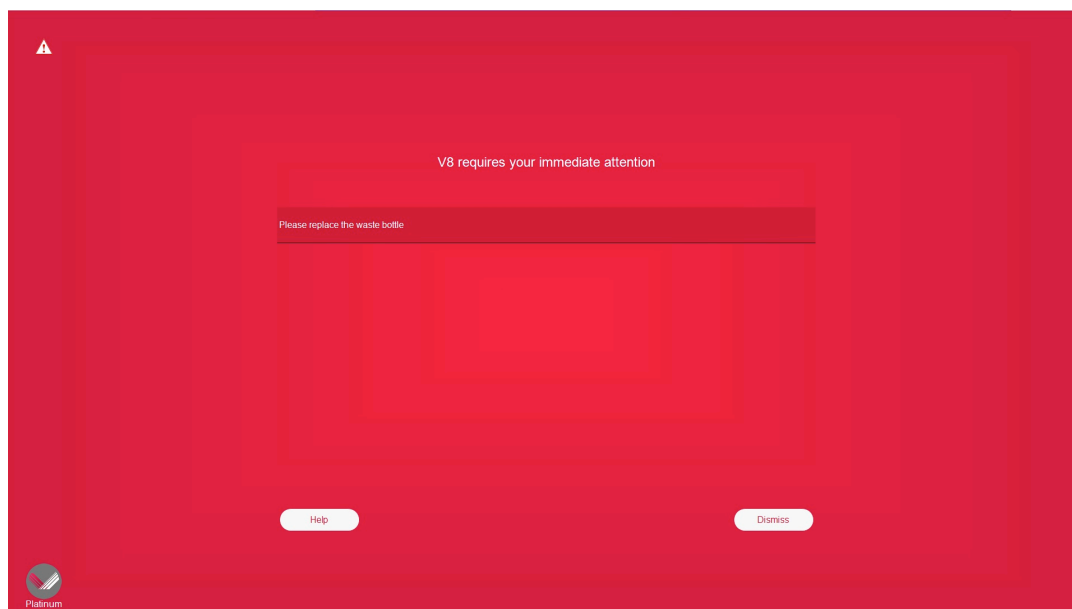


Capot avant ouvert et flacon déchets doit être remplacé:





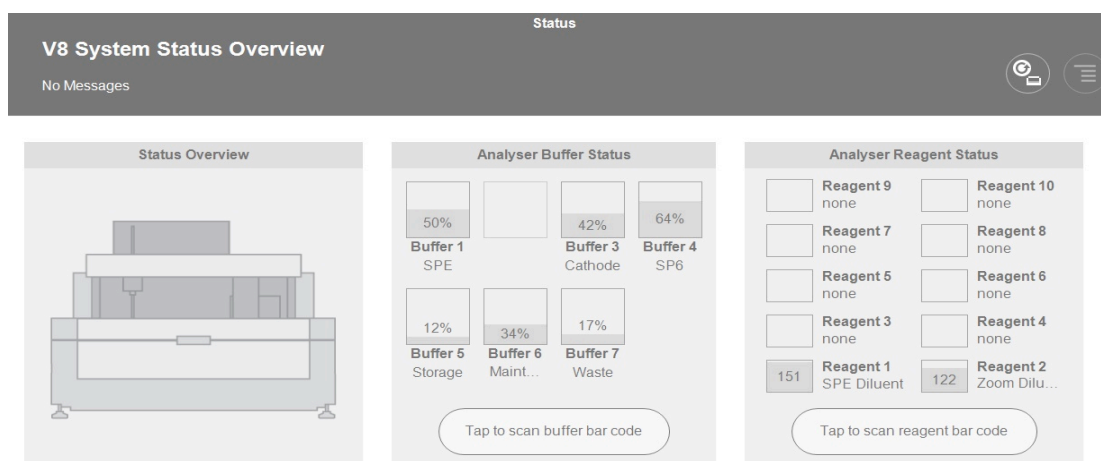
Si un élément nécessite une attention immédiate de la part de l'utilisateur pour que le V8 puisse continuer à fonctionner, un message d'avertissement plus large apparaît à l'écran. Indiquant clairement le problème rencontré et ce qui doit être fait pour le résoudre.



Une fois que l'opérateur a résolu le problème identifié, l'indication d'avertissement disparaîtra de l'écran.

Si l'utilisateur est occupé et veut masquer temporairement la fenêtre, l'option 'Reporter' peut être sélectionnée et la fenêtre disparaît, mais il y aura toujours une zone du V8 mise en évidence dans la Vue d'ensemble du statut jusqu'à ce que le problème soit résolu.

## 2.2 Définir les Réactifs et Tampons

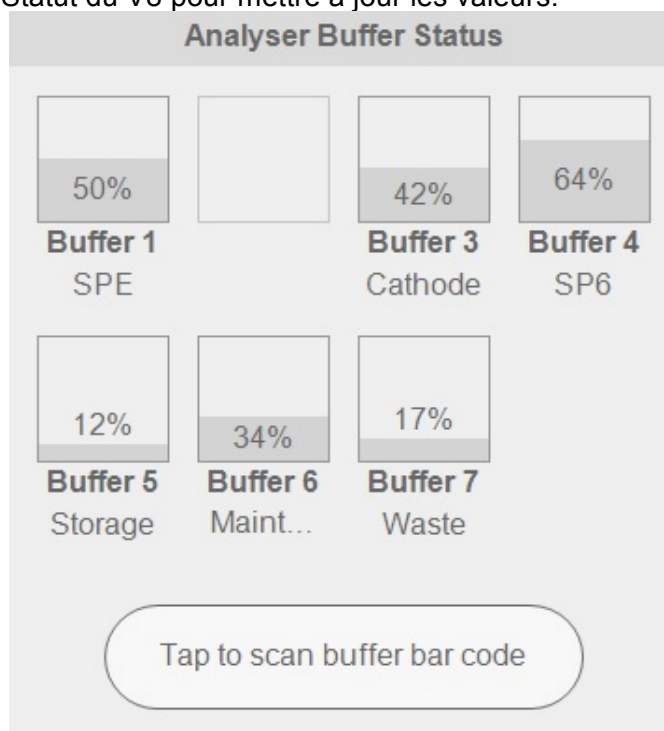


Tous les réactifs et tampons utilisés sur le V8 ont un code-barres individuel. L'utilisation des fonctions statut du tampon de l'analyseur et statut du réactif de l'analyseur permettent à l'utilisateur de voir ce qui est utilisé et la position des tampons et des réactifs. Il permet également à l'utilisateur de changer des tampons ou des réactifs par une alerte du V8 ou lors du changement d'analyses.

## 2.3 Vérifier le Niveau des Tampons

Il est possible de vérifier le niveau restant des tampons à bord pour s'assurer qu'il y a assez de tampon pour une analyse complète.

Pour vérifier le niveau des tampons, aller sur la fenêtre Statut du V8. Sélectionner à nouveau l'icône Statut du V8 pour mettre à jour les valeurs.



## 2.4 Chargement des Réactifs

**Pour installer des réactifs:**

- Allez à **Statut V8 > Statut Réactif > Appuyer pour scanner le code-barres du tampon.**
- Scanner ou entrer les informations du code-barres, sur la bouteille de réactif, en veillant que la position sur le Platinum corresponde à celle à bord du V8.
- Plusieurs réactifs peuvent être installés en une seule fois.
- Une fois scanné, installer le réactif dans le compartiment réactif.

**Analyser Reagent Status**

<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 9</b> none	<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 10</b> none
<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 7</b> none	<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 8</b> none
<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 5</b> none	<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 6</b> none
<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 3</b> none	<input type="checkbox"/>	<b>Reagent 4</b> none
<input checked="" type="checkbox"/> 151	<b>Reagent 1</b> SPE Diluent	<input checked="" type="checkbox"/> 122	<b>Reagent 2</b> Zoom Dilu...

Tap to scan reagent bar code

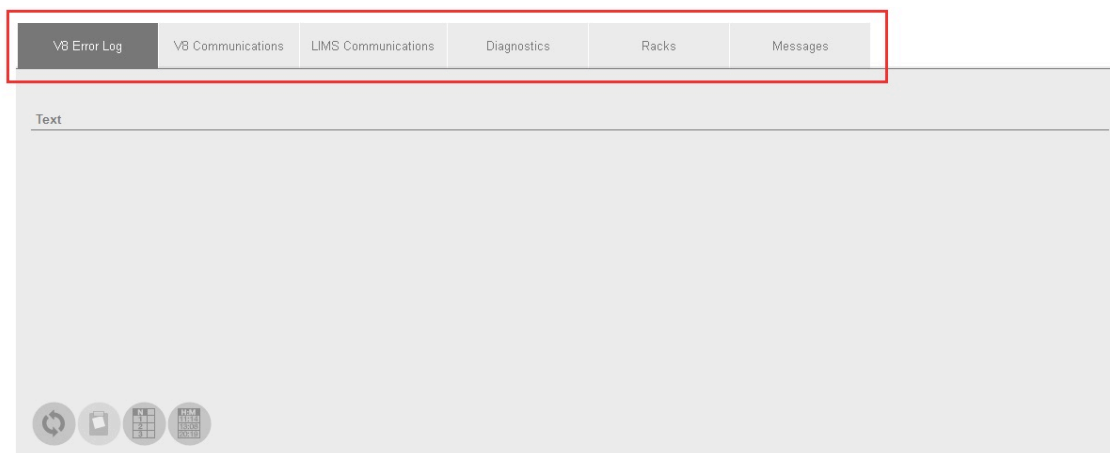
**Reagents**

Reagent 1	Reagent 2	Reagent 3	Reagent 4	Reagent 5
Barcode: <input type="text" value="RD31VEEDDV"/>	<input type="text" value="0000000000"/>	<input type="text" value="CBVKCMVFRU"/>	<input type="text" value="FSCEUVCCAD"/>	<input type="text" value="I12F11HBK0"/>
Product reference:				
Expiry:				
Lot:				
Batch index:				
Tests Left:				
Max tests:				


  

Reagent 6	Reagent 7	Reagent 8	Reagent 9	Reagent 10
Barcode: <input type="text" value="I66M067EL7"/>	<input type="text" value="LH2AHH16FG"/>	<input type="text" value="0000000000"/>	<input type="text" value="0000000000"/>	<input type="text" value="0000000000"/>
Product reference:				
Expiry:				
Lot:				
Batch index:				
Tests Left:				
Max tests:				

OK Cancel

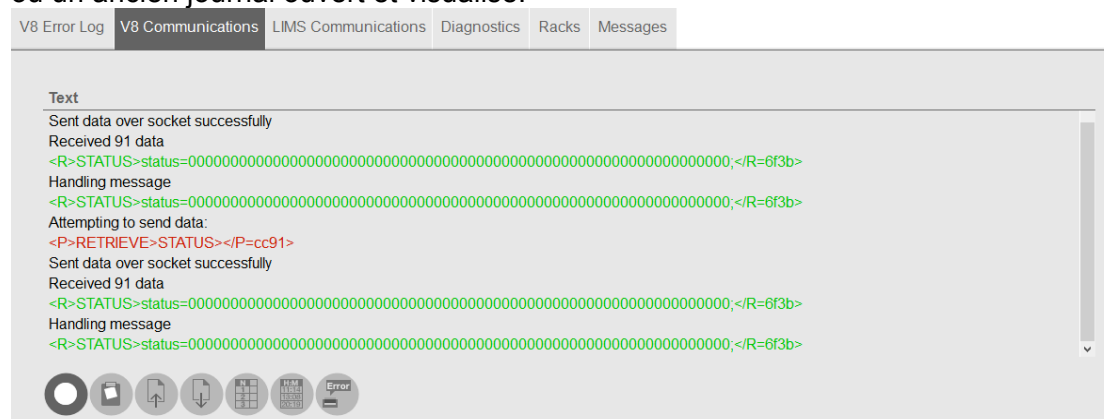


## 2.5 Journal des Erreurs du V8

Le journal des erreurs affiche toutes les erreurs détectées par le V8. Sélectionner l'icône  "Actualisé" pour afficher le journal, ou pour rafraîchir celui-ci s'il a déjà été visionné. L'utilisateur peut copier et enregistrer le journal des erreurs en dehors du logiciel Platinum pour faciliter l'affichage ou pour envoyer au support technique.


## 2.6 Communications du V8

Le journal des communications du V8 permet à l'utilisateur de visualiser les communications entre le V8 et le Platinum. Appuyer sur le bouton "Enregistrer" pour lancer l'enregistrement de ces messages. Le journal peut alors être copié, enregistré ou un ancien journal ouvert et visualisé.



## 2.7 Communications SIL

Cet onglet affiche uniquement les communications entre le logiciel Platinum et le SIL.

Sélectionner l'icône  "Enregistrement" pour démarrer l'enregistrement de ces messages. L'utilisateur peut copier et enregistrer en dehors du logiciel Platinum.

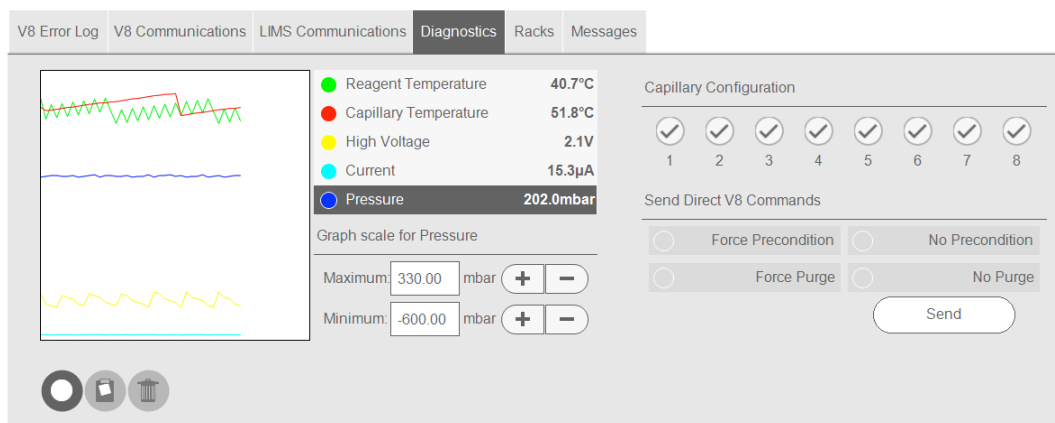


## 2.8 Diagnostics

Le Système Diagnostics du V8 indique à l'utilisateur la température des capillaires, la température du bloc réactifs, la pression, la tension et le courant. Il permet également à l'utilisateur de contrôler la gestion des capillaires et d'accéder directement aux commandes du V8 pour le démarrage.

Ici, l'utilisateur peut également enregistrer graphiquement les paramètres en temps réel pour suivre les performances du système.

Pour mettre à jour ces valeurs, sélectionner l'icône de la fenêtre Statut V8



## 2.9 Gestion des Capillaires

Dans le cas où un capillaire est endommagé ou inutilisable, le capillaire peut être désactivé et isolé des autres. La charge de travail sera automatiquement ajustée entre les capillaires, afin que les échantillons soient analysés automatiquement sans intervention de l'utilisateur. Les résultats seront affichés seulement pour les capillaires fonctionnels.

- Choisir **Statut V8 > Diagnostic > Configuration Capillaires**
- Les capillaires sont affichés et numérotés de 1-8, correspondant à leur position de gauche à droite sur l'appareil. Pour isoler un capillaire et le désactiver, décocher la case correspondante au capillaire concerné.
- Pour réactiver ce capillaire, vérifier que cette case est cochée.

## 2.10 Portoirs

Pour afficher tous les portoirs contenant des tubes sans code-barres ou mal lus.

### 2.10.1 Code-barres des Tubes Echantillons

Les tubes peuvent être chargés sur le V8 avec ou sans code-barres individuels. Cependant, ceci affecte la manière dont le Platinum gère les échantillons et les tests reflex.

- Code-barres présent : Le V8 traitera chaque échantillon individuellement
- Code-barres absent: Le V8 traitera chaque échantillon individuellement, et reconnaîtra chacun d'entre eux seulement par le N° du portoir et sa position. Donc, le portoir NE DOIT PAS ETRE retiré du système ou du Platinum si un test reflex est nécessaire.

Le V8 entrera le code-barres dans la liste de travail dans la première donnée démographique généralement nommée comme identifiant du SIL. Si le V8 n'a pas pu lire le code-barres sur le tube échantillon ou s'il n'y a pas de tube échantillon dans chaque position du portoir échantillon, ce champ sera laissé vide.





Pour éviter une interruption dans la liste de travail, le V8 traitera tous les échantillons, en utilisant la méthode par défaut pour tous les tubes, sauf si un autre test est demandé. Lorsqu'un tube inconnu (code-barres manquant ou mal lu) est détecté, le tube apparaît dans la liste de travail comme absent (liste de code-barres manquant).



Code-barre manquant



Code-barre présent





V8 Error Log	V8 Communications	LIMS Communications	Diagnostics	Racks	Messages
Rack Barcode status by tube					
R02	1 	2  T16114	Remove Rack		
R03	1 	2  S120153	Remove Rack		

### 2.10.2 Pour Enlever l'Alarme "Code-barres Manquant" dans le Platinum

Les tubes échantillon avec des code-barres manquants ou mal lus seront répertoriés dans la liste «Code-barres manquant». Avant que ce rack puisse être utilisé à nouveau sur le V8, cette liste doit être vidée manuellement par l'utilisateur. Le but de cette liste est de s'assurer que le même rack n'est pas exécuté à nouveau incorrectement.

N.B. Enlever un portoir du système retire également les tubes échantillon qui y sont contenus. Les tests réflex automatisés ne peuvent pas être effectués.

Pour retirer le portoir, sélectionner le bouton «Retirer le portoir»

V8 Error Log	V8 Communications	LIMS Communications	Diagnostics	Racks	Messages
Rack Barcode status by tube					
R02	1 	2  T16114	Remove Rack		
R03	1 	2  S120153	Remove Rack		

## 2.11 Messages

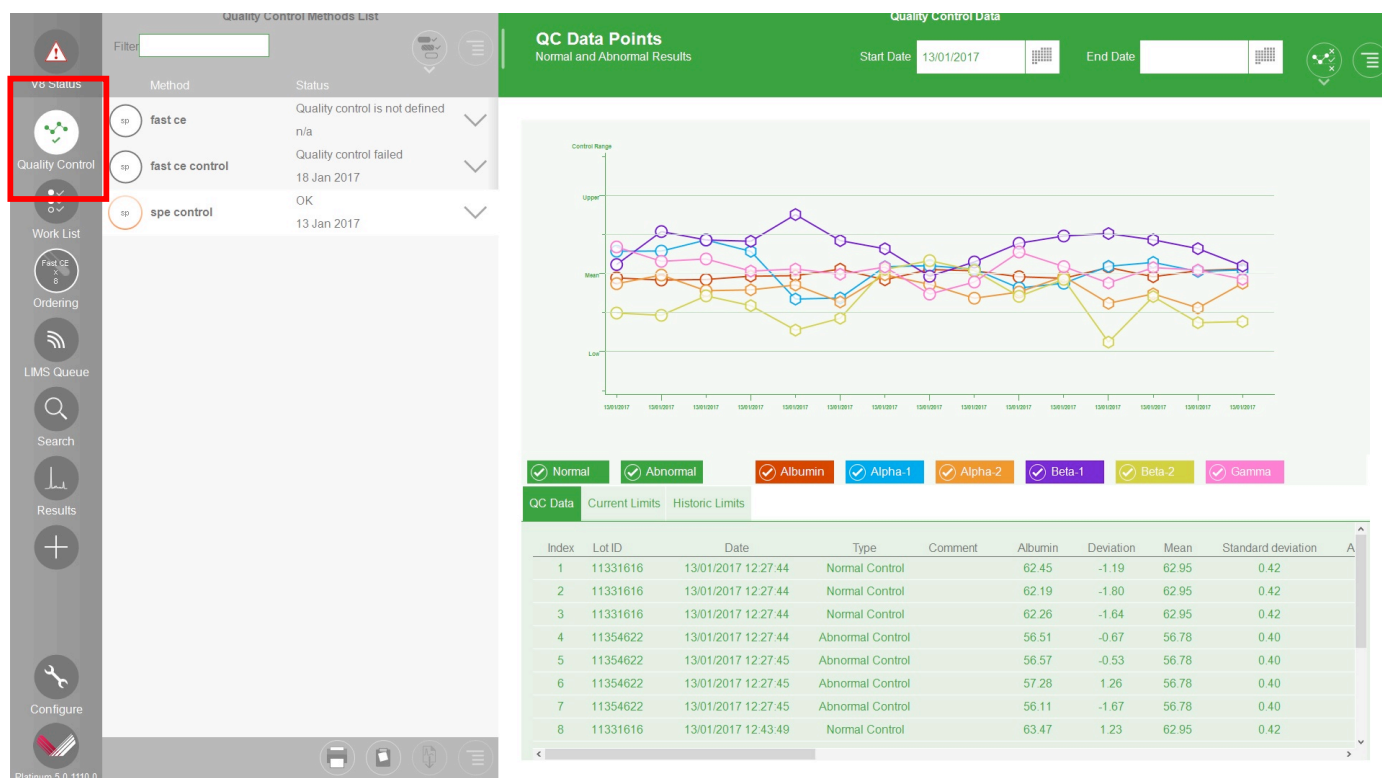
Cet onglet informe continuellement l'utilisateur du statut et des actions de l'instrument.

## 3. Fenêtre Contrôle Qualité

### 3.1 Principales Caractéristiques

- Vérification des contrôles à l'aide du tracé de Levey Jennings
- Analyser les données en utilisant les règles de Westgard
- Le statut du QC en temps réel de l'analyseur est affiché
- Vérification des commentaires traçables par rapport aux échantillons QC

### 3.2 Navigation dans le Menu Contrôle Qualité



### 3.3 Boutons de la Barre d'outils



Fenêtre Contrôle Qualité



Marquer comme Echantillon



Marquer comme un contrôle Normal



Marquer comme un contrôle Anormal

### 3.4 Statut des Icônes QC



QC passé et dans les dates



QC hors dates



QC échoué

### 3.5 Entrer l'identification d'un Lot

1. La page Lot CQ est située dans **Configurer > Méthodes**
2. Sélectionner la méthode appropriée dans la liste des méthodes
3. Cliquer sur l'onglet **Lots CQ**
4. Utiliser la feuille de valeurs fournie avec le contrôle, et remplir les colonnes appropriées, ainsi que le lot et la date d'expiration
  - Note : Si vous utilisez les pics en pourcentage, vous devez mettre un symbole % après la valeur

Configure Standard Methods	Method type	Chemistry Value	Geometry	Lanes	Bands	Smoothing/Filtering	Gain Settings	Lot IDs	Barcode	Controls	Regions/Zones
Barcode entry : <input type="text"/>											
Normal lot ID: <input type="text" value="11331616"/>		Expiry Date (MM/YYYY) : <input type="text" value="8/2017"/>									
Abnormal lot ID: <input type="text" value="11354622"/>		Expiry Date (MM/YYYY) : <input type="text" value="1/2018"/>									
Band statistics:											
Band	Component	Low normal	Upper normal	Low abnormal	Upper abnor...	Mean normal	SD normal	Mean abnor...	SD abnormal		
1	Albumin	53.51%	72.39%	48.26%	65.29%	62.95	0.42	56.78	0.40		
2	A1AG	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00		
3	Alpha-1	3.89%	5.26%	3.64%	4.92%	4.58	0.09	4.28	0.13		
4	Alpha-2	7.18%	9.71%	6.72%	9.09%	8.44	0.26	7.90	0.35		
5	HPK	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00		
6	Beta-1	6.38%	8.64%	5.57%	7.54%	7.51	0.28	6.55	0.28		
7	Beta-2	3.50%	4.74%	2.82%	3.82%	4.12	0.15	3.32	0.15		
8	Gamma	10.54%	14.26%	17.99%	24.35%	12.40	0.24	21.17	0.28		
+											

### 3.6 Paramètres QC

Les paramètres de QC optionnels sont définis dans les préférences de Contrôle Qualité, localisés dans **Configurer > Contrôle Qualité**.

Cocher la fonction 'Afficher le statut Levey-Jennings' et sélectionner la 'Méthode de contrôle actif' voulue du QC. L'icône de contrôle de qualité sur le côté gauche de l'écran change en fonction du statut QC de la méthode mise en surbrillance dans la zone de méthode du contrôle actif. Le compte à rebours indique la durée de validité de ce résultat.


L'activation de la fonction « Affichage des alarmes de Levey-Jennings » ouvrira une boîte de dialogue afin de savoir si l'utilisateur utilise la machine lorsque le QC est expiré ou hors des limites.

L'activation du 'commentaire échec du QC obligatoire' va déclencher une boîte de dialogue, quand vous ouvrez la fenêtre Contrôle de qualité, si l'un de vos résultats de contrôle de qualité est hors des limites. Ce commentaire est une vérification traçable et peut être utilisé pour documenter une action corrective et/ou une justification à des fins d'accréditation.

Si vous sélectionnez cette option, il sera obligatoire d'écrire un commentaire avant de fermer la boîte de dialogue des commentaires QC échoués. Un commentaire par défaut peut être configuré et appliqué.

Vous pouvez activer une des règles de Westgard en la mettant en surbrillance dans la fenêtre 'Règles sélectionnées par défaut'.

Quality Control Preferences

☒ Display Levey Jennings Status  
Active control method :  
Fast CE Control


☒ Display Levey Jennings Warning  
☐ Force QC failure comment  
☐ Use default comment  
QC Failure :

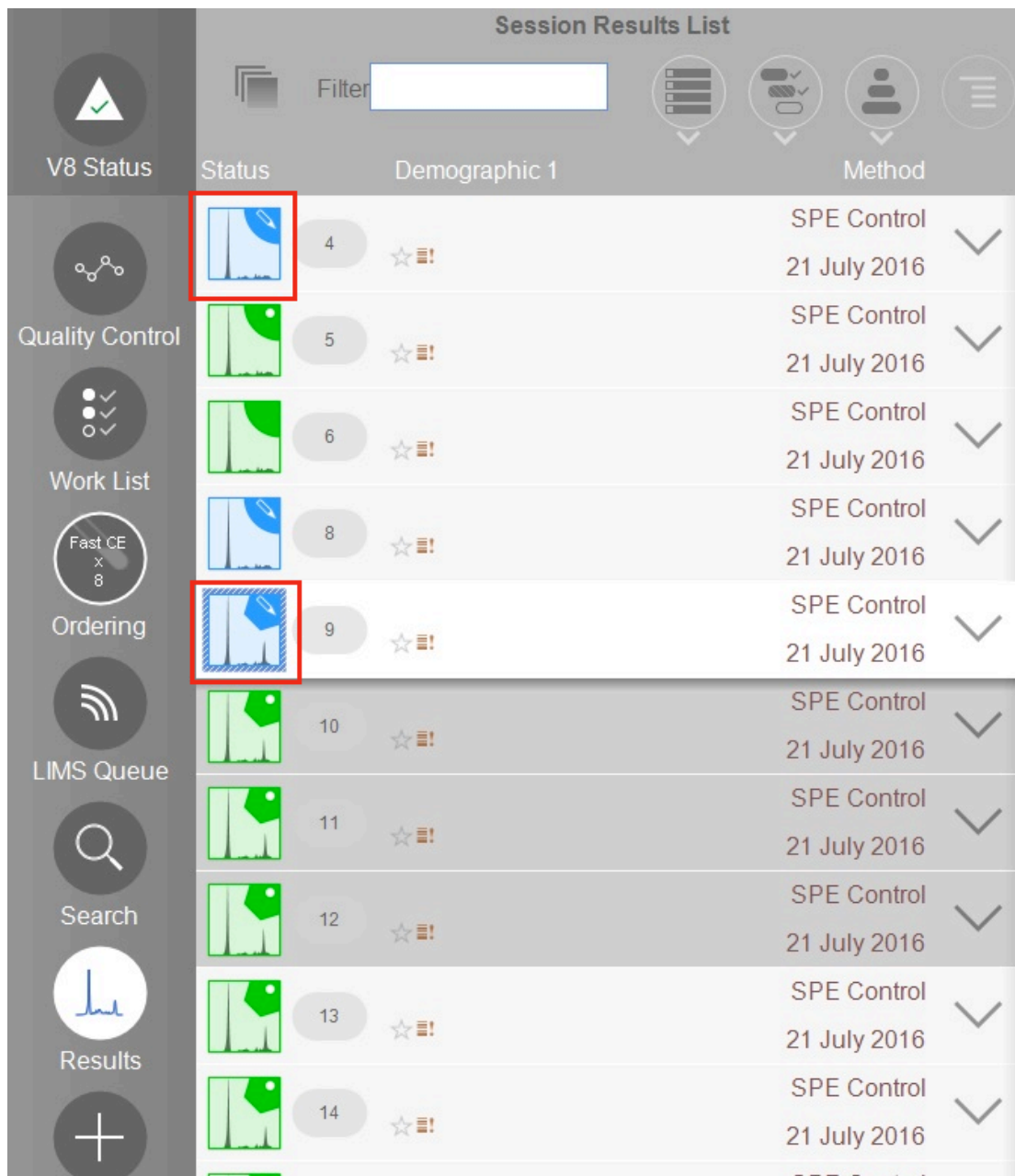
Count down timer  
☒ Use Countdown Timer.  
12 Hours  
Time Left  
0 Hours

Rules selection Defaults  
Result exceeds 3 SD  
2 results exceed 2 SD on same side  
2 results exceed 2 SD on different sides  
3 results exceed 1 SD on same side  
4 results exceed 1 SD on same side  
9 results lie on same side of Mean  
10 results lie on same side of Mean

Help

### 3.7 Comment Remplir le Tableau de Levey Jennings

1. Lancez un contrôle en utilisant la méthode de contrôle appropriée, afin de vous assurer que les informations sur le lot du contrôle sont remplies.
  - Plusieurs types de contrôles peuvent être utilisés en remplissant le tableau de Levey-Jennings à l'aide des données provenant des différentes méthodes de base, c'est-à-dire que tous les contrôles testés à l'aide de la méthode de contrôle SPE seront regroupés dans un graphique spécifique à cette même méthode SPE.
2. Interpréter les tracés en veillant à ce que toutes les bandes soient correctement définies.
3. Marquer comme un contrôle normal ou anormal à l'aide de l'icône QC pour remplir les résultats dans le graphique.
4. L'icône s'affichera comme un contrôle normal ou un contrôle anormal, dans la liste de travail.

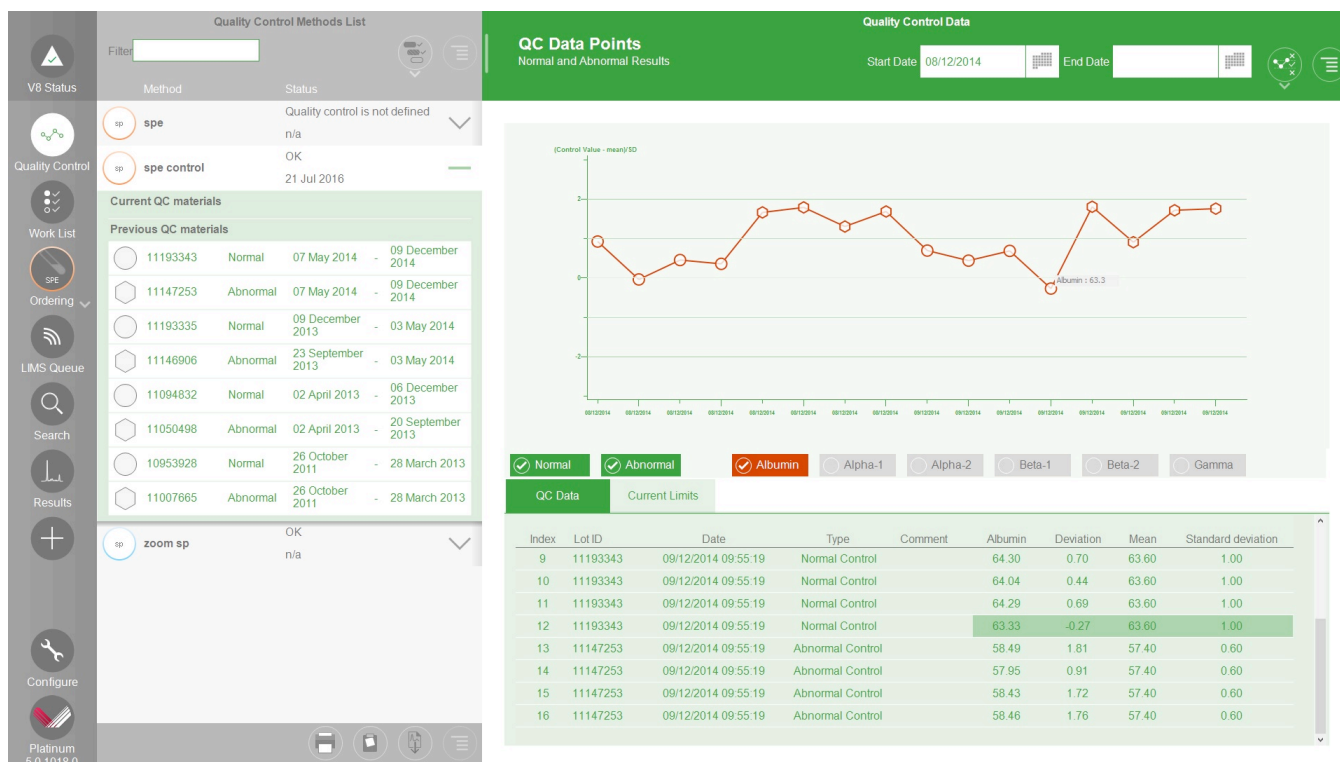


Le carré supérieur rouge montre un contrôle marqué comme normal (Un quart de cercle dans le coin supérieur droit de l'icône), et le carré rouge du bas montre un contrôle marqué comme anormal (un pentagone dans le coin supérieur droit de l'icône). Pour plus d'informations sur les formes et les couleurs des icones voir la section 8.2.

### 3.8 Caractéristiques du Graphique Levey Jennings

1. La selection de la méthode QC, du lot CD, et des données peuvent être consultées à côté du graphique QC
2. Le changement de lot de contrôle insérera une ligne verticale bleue dans le graphique
3. Tout résultat en dehors des paramètres définis fera apparaitre une zone de commentaires.
4. La selection d'un résultat sur le graphique, renverra aux valeurs du point en fonction de la date et mettre en surbrillance verte la valeur de ce point.





## 5. Fenêtre Liste de Travail

**Work List Setup**

Worklist ID:  Set

Status	Line	Sample/Control	Patient ID	Patient Name
Normal Control	8	Normal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	9	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	10	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	11	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	12	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	13	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	14	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	15	Abnormal Control	n/a	n/a
Abnormal Control	16	Abnormal Control	n/a	n/a
Sample	17	Sample	M320027782	
Sample	18	Sample	M320027782	
Sample	19	Sample	M320027782	
Sample	20	Sample	M320027782	
Sample	21	Sample	M320027782	

La fenêtre Liste de Travail affiche tous les échantillons ajoutés à la session V8, qu'il s'agisse d'une session active ou d'une ancienne session Platinum. Ici, l'utilisateur peut définir les contrôles, et également entrer toutes les valeurs démographiques et chimiques pour les échantillons. Si vous êtes connecté au SIL les données démographiques seront automatiquement remplies à chaque fois qu'un échantillon codebarré est scanné et que la requête automatique est activée. Si la requête automatique est désactivée les données démographiques peuvent être remplies en interrogeant manuellement le SIL.

Toutes les données qui sont entrées ici doivent apparaître dans les données démographiques dans la fenêtre des résultats.



## 5. Fenêtre des Demandes

Platinum 5.0 1019.0

Ordered Tests List

Filter

Status Method Location Date

VB Status

Quality Control

Work List

Ordering

LIMS Queue

Search

Results

Configure

Platinum 5.0 1019.0

Test Ordering Configuration

Test Order Configuration

Default Method Selection

Fast CE x 8 (sp)

Test Ordering

Method Selection

Barcode for Tube

Override Wavelength nm

Override dilution

M-Spike relative area %

Gamma relative area %

Calculate

Order Test

Rack 1 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 2 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 3 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 4 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 5 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 6 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 7 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 8 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 9 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 10 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 11 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 12 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 13 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 14 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Selected Tube in Rack

### 5.1 Sélectionner la Méthode par Défaut

La méthode par défaut peut être définie de la façon suivante:

- Appuyer longuement sur l'icône de demande pour faire apparaître la fenêtre 'Sélection Méthode'.
- La sélectionner à partir du menu déroulant dans la fenêtre des demandes.

Platinum 5.0 1019.0

Ordered Tests List

Filter

Status Method Location Date

VB Status

Quality Control

Work List

Ordering

LIMS Queue

Search

Results

Configure

Platinum 5.0 1019.0

Test Ordering Configuration

Test Order Configuration

Default Method Selection

Fast CE x 8 (sp)

Test Ordering

Method Selection

Barcode for Tube

Override Wavelength nm

Override dilution

M-Spike relative area %

Gamma relative area %

Calculate

Order Test

Rack 1 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 2 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 3 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 4 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 5 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 6 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 7 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 8 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 9 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 10 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 11 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 12 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 13 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Rack 14 (1) (2) (3) (4) (5) (6) (7) (8)

Selected Tube in Rack

### 5.2 Demande de Test

Une demande de test correspond à une analyse particulière pour un échantillon. Un test peut être demandé lorsque l'analyse est différente de celle par défaut.

Pour demander un test:

- Aller dans la fenêtre Demandes
- Sélectionner la méthode dont vous avez besoin en cliquant sur la liste déroulante "Sélection Méthode"
- Entrer le code-barres de l'échantillon demandé (le cas échéant)
- Saisir une longueur d'onde de substitution ou une dilution de substitution, si elles sont différentes de celles par défaut.
- Sélectionner la position du tube et/ou le code-barres pour lequel les tests seront exécutés.
- Sélectionner le test demandé
- Les tests doivent apparaître sur le côté gauche de l'écran dans la liste des tests demandés.
- Charger le(s) échantillon(s) sur le portoir échantillons, en veillant à ce que le portoir et les ID correspondent à ceux saisis dans le Platinum.
- Placer le(s) portoir(s) dans la zone de transport des portoirs échantillons et fermer le capot.
- Le V8 va automatiquement réaliser l'analyse demandée.
- Une fois terminé, l'échantillon n'apparaîtra plus dans la fenêtre des demandes.

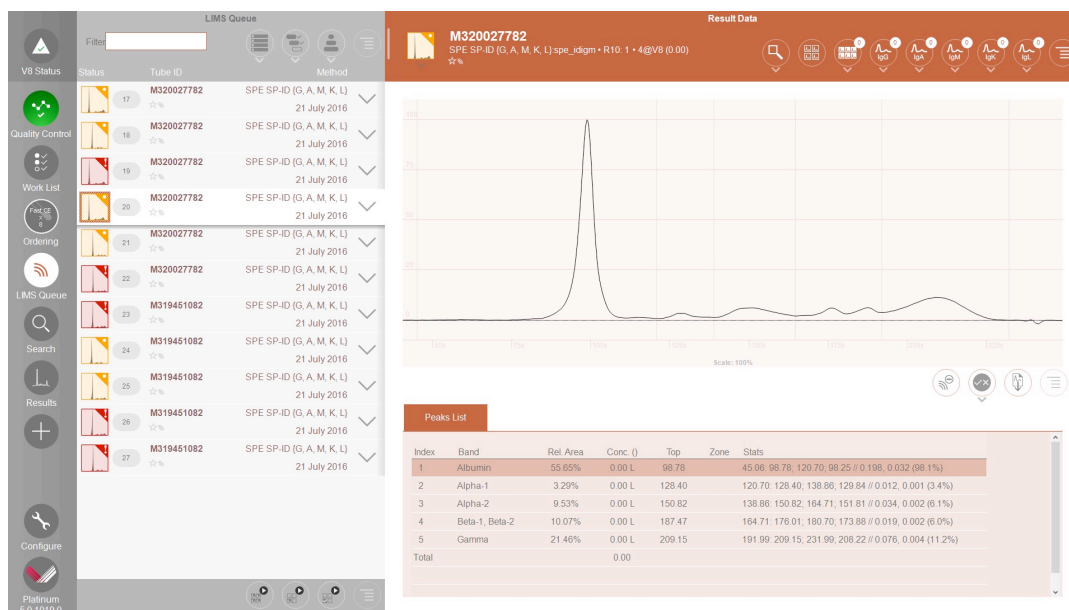
### **5.2.1 Comment Supprimer un Test Demandé**

Les tests qui ont été demandés ou qui sont en attente de test Reflex resteront sur le système comme exceptionnels, même si les échantillons ont été enlevés du V8. Si des échantillons sont retirés du V8 puis replacés à bord, les analyses demandées seront effectuées, à moins qu'elles soient annulées du système. Si un tube a un code-barres manquant/mal lu, il sera considéré comme test exceptionnel, ce test sera automatiquement supprimé du système lorsque le portoir sera retiré de la 'liste de travail sans code-barres'.

- Ouvrir la fenêtre Demandes
- Sélectionner le test demandé que vous souhaitez supprimer
- Sélectionner l'icône "Supprimer le test demandé" en bas de l'écran



## **6. Fichier Tampon vers SIL**







## 6.1 Contrôle des Données vers le SIL


Il existe deux façons d'envoyer les données au SIL. Soit en passant par un fichier tampon où les données devront être validées avant l'envoi vers le SIL, soit en envoi direct sans validation préalable.

## 6.2 Envoi des Données dans le Fichier Tampon SIL

Les échantillons sont envoyés au SIL en passant dans un premier temps par un fichier tampon, pour lequel un utilisateur confirmé devra valider ces données comme acceptables et les envoyer au SIL.



Pour envoyer un tracé individuel ou plusieurs tracés dans le fichier tampon, sélectionner l'échantillon que vous voulez envoyer à partir de la fenêtre Résultats, puis sélectionner l'icône SIL  et ajouter au Fichier Tampon SIL .


Pour envoyer la session entière ou le scan d'un gel au SIL, sélectionner l'icône  et Sélectionner Tout, puis sélectionner l'option Ajouter au Fichier Tampon SIL .


Les échantillons envoyés au fichier tampon SIL seront marqués d'un icône de liste de travail .


## 6.3 Visualisation et Validation du Fichier Tampon vers SIL




Pour afficher ces échantillons dans le fichier tampon SIL, accéder à la fenêtre Fichier Tampon SIL.

Pour valider un échantillon seul et le libérer du fichier tampon SIL, sélectionner l'icône . Une coche bleue apparaîtra à côté de l'icône SIL .

Pour valider plusieurs échantillons sélectionnés et les libérer du fichier tampon SIL, mettre en surbrillance les échantillons que vous souhaitez approuver en touchant le petit icône du tracé, puis sélectionner Valider Envoi tracé au SIL . Des icônes bleus doivent apparaître à côté de l'icône SIL pour tous les échantillons sélectionnés.

Pour empêcher qu'un échantillon individuel validé précédemment soit libéré du fichier tampon SIL, mettre l'échantillon en surbrillance et sélectionner «Annuler validation Envoi au SIL» . La coche bleue devrait alors être retirée. Pour plusieurs échantillons, mettre en surbrillance tous les échantillons dont vous souhaitez supprimer l'approbation en touchant le petit icône du tracé avant de sélectionner «Annuler Validation Envoi au SIL».




Pour supprimer un échantillon individuel du fichier tampon SIL, sélectionner l'icône "Retirer du fichier tampon" . Pour supprimer plusieurs échantillons, mettre en surbrillance tous les échantillons que vous souhaitez supprimer en touchant le petit icône du tracé avant de sélectionner "Supprimer du fichier tampon SIL".

Une fois que les échantillons appropriés ont été autorisés à être envoyés à la base de données SIL, sélectionner soit «Envoi Tout au SIL» , «Envoi Sélection au SIL»  ou «Envoi Sélection Validée au SIL»  selon les nécessités d'envoyer les résultats à la base de données SIL.

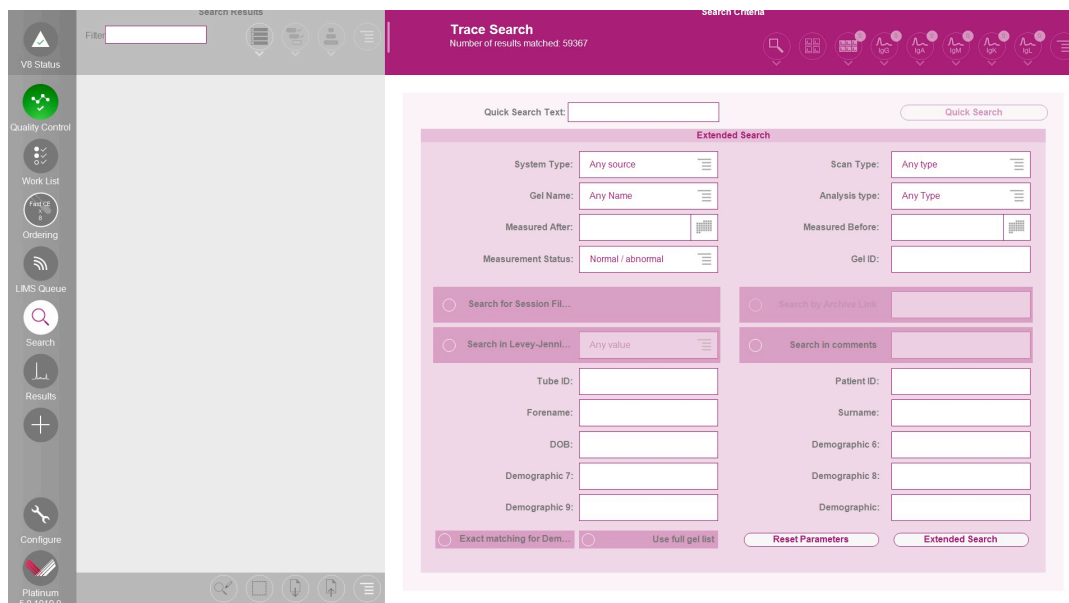
Pour afficher la progression du transfert au SIL, aller à **Configure > Personnaliser > Envoi au SIL** et s'assurer que l'option "Afficher la fenêtre de contrôle" soit cochée.

#### 6.4 Envoi des Données Echantillon directement au SIL

L'échantillon peut être envoyé directement au SIL sans utiliser la zone tampon du système.

Pour envoyer une session entière au SIL, aller sur l'icône Sélection  et "Sélectionner Tout". Puis aller sur l'icône SIL  et sélectionner Envoi au SIL .

## 7. Fenêtre de Recherche



The screenshot shows the 'Trace Search' window. On the left is a sidebar with icons for V8 Status, Quality Control, Work List, Ordering, LIMS Queue, Search (highlighted), Results, Configure, and Platinum 5.0.1019.0. The main window has a header with 'Trace Search' and 'Number of results matched: 59367'. Below the header is a 'Quick Search Text' field and a 'Quick Search' button. The 'Extended Search' section contains several filters: System Type, Gel Name, Measured After, Measurement Status, Scan Type, Analysis type, Measured Before, Gel ID, Search for Session File, Search in Levey-Jennings, Search by Archive Link, Search in comments, Tube ID, Forename, DOB, Demographic 7, Demographic 8, Demographic 9, Patient ID, Surname, Demographic 6, and Demographic. At the bottom are buttons for 'Exact matching for Dem...', 'Use full gel list', 'Reset Parameters', and 'Extended Search'.

### 7.1. Recherche des Données

Pour rechercher des résultats d'échantillons précédents, des gels complets ou des sessions V8 dans la base de données, la fenêtre de recherche peut être utilisée.

Cette fenêtre recherche automatiquement les échantillons individuels, sauf si l'une des options suivantes est sélectionnée:

- Rechercher des fichiers de session
- Rechercher dans Levey-Jennings
- Rechercher par Lien d'Archive
- Rechercher dans Commentaires

Lors de la recherche de résultats d'échantillons individuels, l'un des 10 champs démographiques peut être utilisé pour identifier l'échantillon et filtrer les résultats.

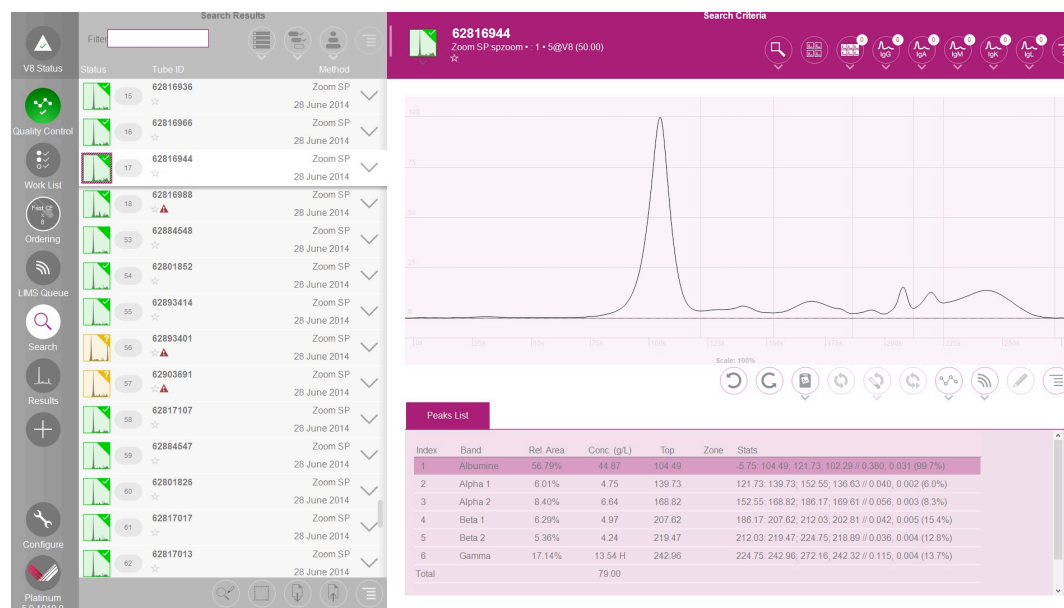
En outre, 7 filtres additionnels sont disponibles:

- Type de Système
- Type de Lecture
- Nom du Gel
- Type d'Analyse
- Date de Lecture

- Identification Gel
- Etat de Mesure


Lors de la recherche d'une session, seuls les 7 filtres ci-dessus sont utilisables. En saisissant n'importe quel critère démographique, par exemple l'identification du patient, et en cliquant sur le bouton de recherche, une liste de résultats apparaît.


## 7.2 Recherche de Résultats



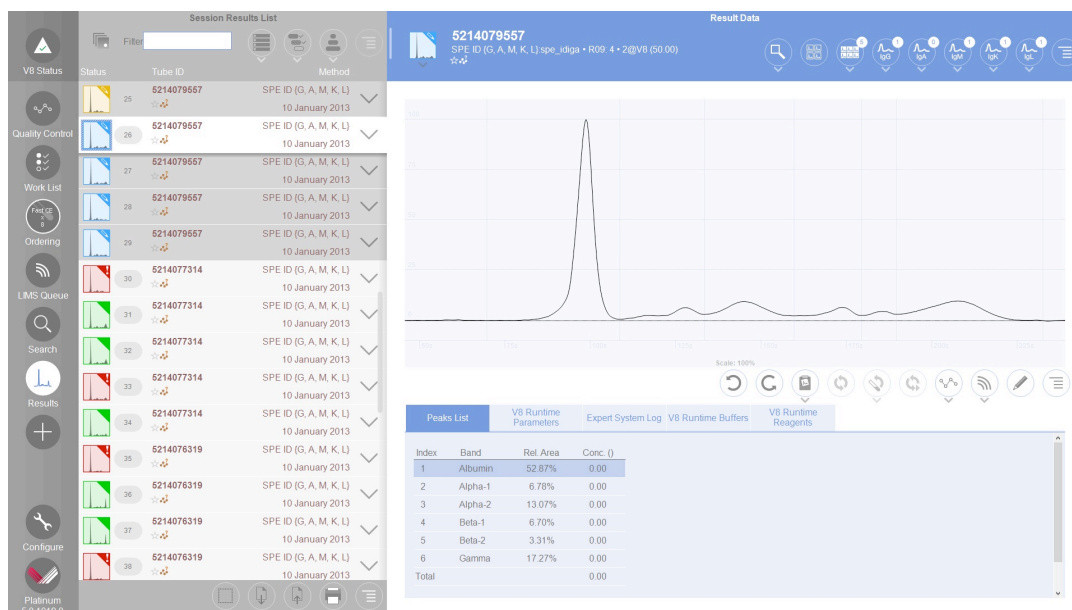
Un maximum de 1000 tracés peut être affiché à la fois – si plus une boîte de dialogue apparaîtra.

Les résultats de la recherche peuvent être triés dans le coin supérieur gauche de l'écran.

Une fois les résultats de la recherche affichés, les fonctions de visualisation de base peuvent être effectuées. La session V8 d'origine peut être chargée en sélectionnant l'icône  pour avoir plus de détails sur l'échantillon affiché.

Une fois la visualisation terminée, une nouvelle recherche peut être démarrée en sélectionnant l'icône .

## 8. Fenêtre des Résultats



## 8.1 Fenêtre Session Active





Il est possible d'avoir en même temps plusieurs fenêtres de session ouvertes dans le Platinum. Pour éviter les confusions à propos de la session active, la session est répertoriée comme la « Session Active V8 Système » lorsque l'utilisateur sélectionne l'icône.




## 8.2 Modification


Lorsqu'un tracé ou une image de gel est affiché pour la première fois, il est possible que les données nécessitent des ajustements pour une interprétation correcte des résultats. Chaque tracé peut être modifié selon les préférences de l'utilisateur. Les échantillons sont affichés dans la liste de travail associé à un code couleur qui permet visuellement à l'utilisateur de connaître leur état. Les codes couleur sont les suivants:

Icon	Etat du tracé
	Tracé avec le nombre de fractions correctes et les valeurs dans les normales, suggérant un échantillon normal
	Tracé avec le nombre de fractions correctes et les valeurs dans les normales, suggérant un échantillon normal. Le tracé a été vu également.
	Tracé avec le nombre de fractions correctes et les valeurs dans les normales, suggérant un échantillon normal, mais il a été modifié
	Tracé non modifié et pouvant avoir un nombre incorrect de fractions/bande ou des valeurs en dehors des normales, indiquant certainement un échantillon anormal

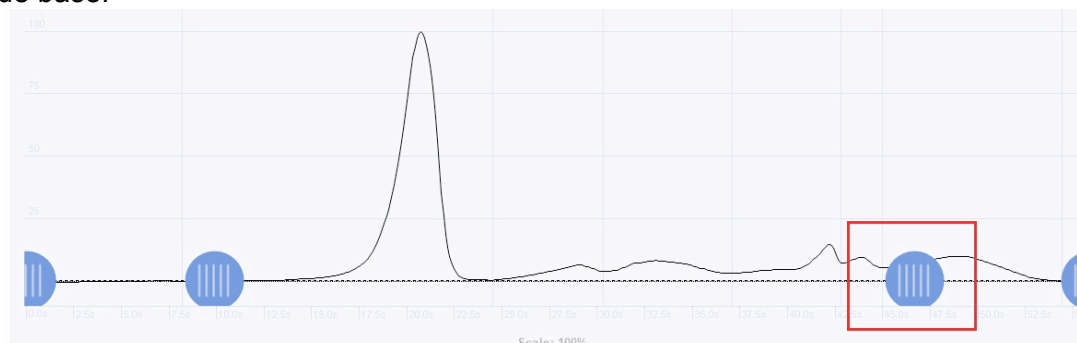
	Tracé revu et non modifié. L'échantillon a un nombre incorrect de fractions/bandes ou des valeurs en dehors des normales. L'échantillon est sans doute anormal.
	Tracé revu et modifié. L'échantillon a un nombre incorrect de fractions/bandes ou des valeurs en dehors des normales. Les bandes monoclonales marquées donneront une couleur jaune. L'échantillon est sans doute anormal.
	Le tracé est un contrôle normal avec le nombre de fractions correctes et les valeurs dans les limites. Le point montre que le tracé a été vu.
	Le tracé est un contrôle anormal avec le nombre de fractions correctes et les valeurs dans les limites. Le point montre que le tracé a été vu.

Pour modifier manuellement les tracés, utiliser l'icône  pour afficher toutes les options de modification.


### 8.2.1 Edition de la Ligne de Base

S'il est nécessaire de modifier la ligne de base, cliquer sur l'icône , permet de déplacer manuellement la ligne de base.

La sélection de cette icône affichera de grands cercles bleus qui peuvent être déplacés pour ajuster la ligne de base. Si vous appuyez longuement sur l'un de ces cercles, un menu vous permettra d'ajouter et de supprimer des marqueurs de ligne de base.



### 8.2.2 Edition de Pics

Une fois un échantillon sélectionné, les pics peuvent être édités en cliquant sur l'icône Edition pics . Un appui long sur un marqueur du pic sur le tracé échantillon donne accès à des options spécifiques pour le pic sélectionné.

### 8.2.3 Ajouter une Marque

Pour ajouter une marque à la courbe, appuyer longuement sur l'emplacement souhaité pour ce marquage. Choisir "Ajouter Marque" dans le menu déroulant et une marque de fraction sera placée sur le tracé. Tout mouvement supplémentaire peut être effectué en faisant glisser la marque à l'emplacement correct dans la fraction.

### 8.2.4 Supprimer une Marque




Pour supprimer une marque en trop, appuyer longuement sur la marque que vous souhaitez supprimer. Maintenant, choisir "Supprimer Marque" dans le menu déroulant la marque est aussitôt supprimée du tracé.

#### **8.2.5 Diviser un Pic**

Pour diviser un pic par addition d'une marque, appuyer longuement sur l'emplacement souhaité pour le marquage supplémentaire. Choisir "Diviser Pic" dans le menu déroulant, et la marque est automatiquement ajoutée sur le tracé. Tout autre mouvement peut être effectué en faisant glisser la marque à l'emplacement précis de la courbe.

#### **8.2.6 Lissage**

Pour lisser un tracé, sélectionner l'icône "Filtrage/Lissage" et utiliser le curseur lissage pour sélectionner votre paramétrage préféré 

#### **8.2.7 Filtrage**

Pour filtrer un tracé, sélectionner l'icône "Filtrage/Lissage" (voir la section Lissage ci-dessus) et utiliser le curseur Filtrage pour sélectionner votre paramétrage préféré.

#### **8.2.8 Fonction Superposition**

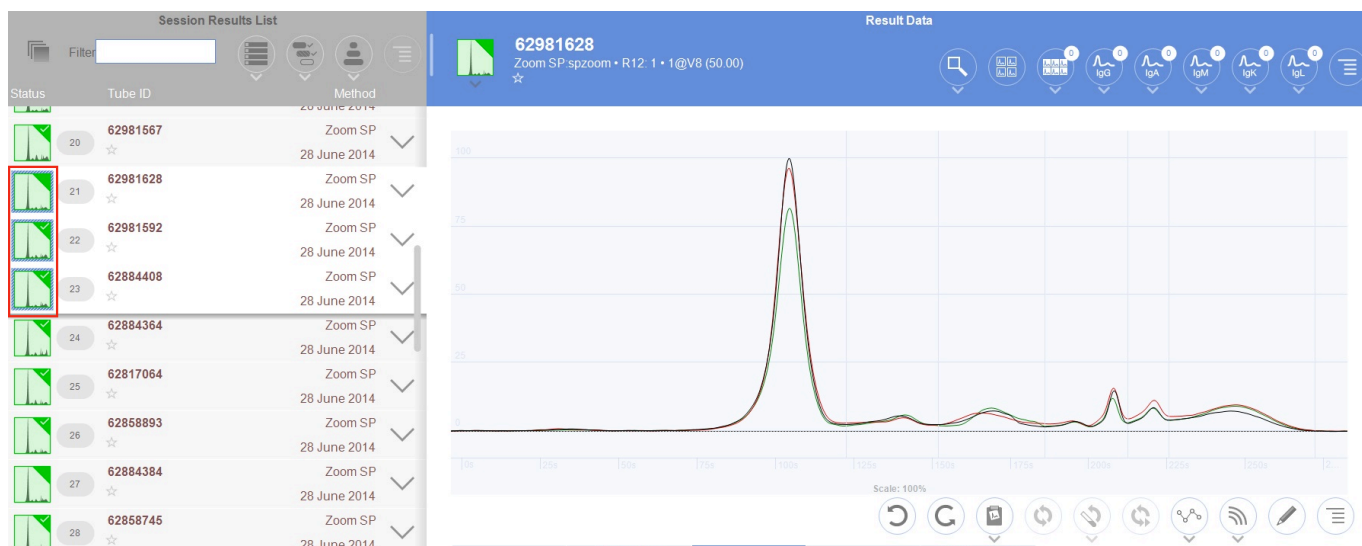
La fonction de superposition permet une comparaison entre un échantillon affiché à l'écran et un tracé précédemment sélectionné ou un autre échantillon.


#### **8.2.9 Superposer une Référence Normale**

Le tracé dit « Normal » est défini par l'utilisateur en fonction des normales propre à chaque laboratoire. Une courbe peut être définie comme la référence normale par défaut en appuyant longuement n'importe où sur le tracé pour afficher le menu déroulant et en sélectionnant "Utiliser comme Réf. Normale". Le tracé ainsi défini apparaît en gris sur l'écran, comme ci-dessous. Pour activer/désactiver la superposition de la référence, appuyer longuement sur le tracé et sélectionner "Afficher Réf. Normale".


#### **8.2.10 Superposer des Echantillon à l'Ecran**

En cliquant sur l'icône du petit tracé, vous pouvez sélectionner autant d'échantillons que vous voulez superposer. Si vous cliquez de nouveau sur l'icône, vous le désélectionnez.




Il est également possible de sélectionner tous les échantillons en allant sur l'icône  et en sélectionnant "Sélectionner Tout".

### 8.2.11 Alignement des Tracés

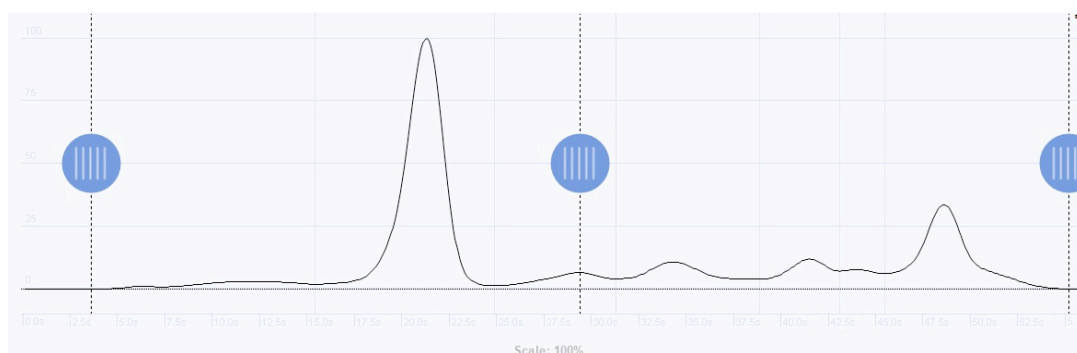
Lorsque l'on superpose des tracés dans Platinum, il est souvent nécessaire d'aligner un tracé sur l'autre, cela est notamment vérifié pour les immunodéplacements. Le Platinum permet une action rapide et facile. Pour ce faire, sélectionner deux tracés ou plus qui doivent être alignés et sélectionner l'icône .

### 8.2.12 Alignement des Tracés pour Superposer les Fractions

Lors de la superposition d'échantillons de passages différents, il peut être nécessaire d'ajuster un tracé afin que tous les pics soient en correspondance les uns avec les autres sur les deux tracés.

Superposer les échantillons requis en cliquant sur leurs icônes de tracé, puis sélectionner l'icône .

Cette fonction permet un auto-alignement des tracés. Si les échantillons nécessitent une manipulation supplémentaire, le tracé peut être aligné manuellement en faisant glisser les trois marqueurs verticaux qui apparaissent à l'écran.



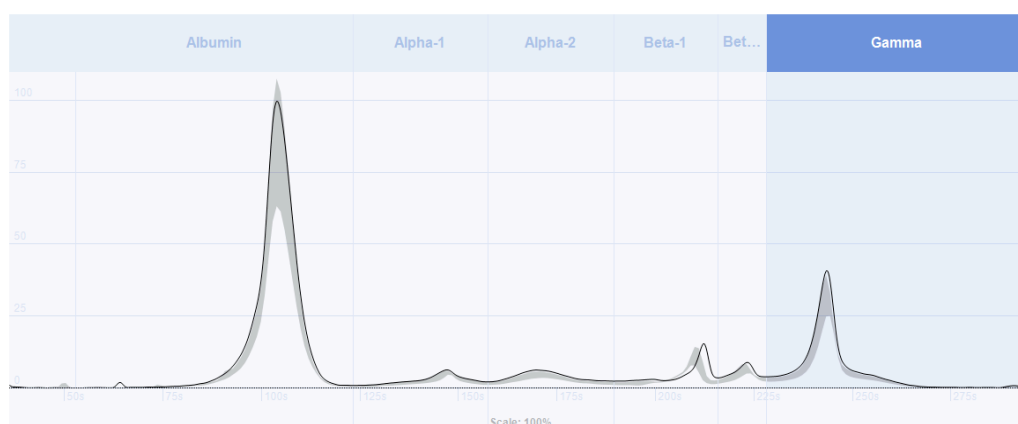
### 8.3. Tracés Moyens (référence moyenne)

Permet d'afficher un tracé d'échantillon normal à l'écran par rapport au tracé actuellement sélectionné.

Pour ajouter des tracés à la référence moyenne, sélectionner le menu contextuel sur la droite de l'écran à côté de l'icône «Modifier», puis sélectionner «Comparaisons». Choisir "Ajouter au Tracé moyen" dans le menu déroulant.

Pour afficher les tracés utilisés pour composer la superposition moyenne, accéder au même menu contextuel, sélectionner 'Comparaisons' puis sélectionner 'Charger Tracés Moyens' dans le menu déroulant.

Le menu déroulant «Comparaisons» vous donne également la possibilité de supprimer un échantillon spécifique de la référence moyenne.



### 8.4 Quantification d'une Bande d'allure Monoclonale

Pour quantifier une bande d'allure monoclonale, il est nécessaire d'isoler celle-ci sur le tracé. Il existe deux méthodes pour le faire qui donnent des valeurs légèrement différentes du composé monoclonal : marquage vertical ou horizontal. Si le taux des protéides totaux est connu pour cet échantillon, le Platinum calculera automatiquement la concentration de chaque bande ajoutée.

**N.B. Il est recommandé à l'utilisateur de choisir l'une ou l'autre méthode, et de ne pas permuter le mode de marquage car cela peut conduire à un changement de quantification pour le suivi d'un patient uniquement dû à une différence de méthode dans l'évaluation du pic.**

#### 8.4.1 Pic Horizontal

Cette méthode tient compte du bruit de fond polyclonal d'un échantillon en permettant à l'utilisateur d'estimer ce bruit de fond polyclonal et de le retirer de la quantification du pic.

#### 8.4.2 Ajouter un Clône Horizontal

Sélectionner l'icône Edition pics , puis appuyer longuement sur le clone monoclonal et sélectionner "Ajouter Pic Horizontal".


Le Platinum estimera la valeur du pic d'allure monoclonale et surlignera celui-ci par des lignes hachurées sur la totalité de la surface du pic. Pour modifier l'emplacement des points de début et de fin de la zone quantifiée, faites glisser la marque vers l'emplacement approprié. La liste des fractions contient maintenant une « extra-bande » appelée 'Pic' additionnée d'un préfixe et suffixe dépendant de la localisation du pic dans les fractions et du nombre de pics ajoutés.

Ex : 5 Gamma Pic 1 13.39%, Où '5' est le nombre du pic, 'M' comme un clône horizontal et non une fraction normale, 'Gamma' est la région dans laquelle se trouve le clône M, 'M-spike 1' Le premier clône M marqué (plusieurs clônes peuvent être ajoutés), et 13,39% montre la surface relative du clône.

#### 8.4.3 Clône Vertical

Cette méthode suppose que la bande monoclonale est la seule protéine migrant à cette position spécifique, par conséquent la quantification de la bande est réalisée jusqu'à la ligne de base du tracé.

#### 8.4.4 Ajouter un Clône Vertical

Sélectionner l'icône Edition pics , puis appuyer longuement sur le pic monoclonal et sélectionner "Ajouter Pic Vertical". Le Platinum estimera la taille du pic monoclonal et surlignera celui-ci par des lignes hachurées sur la totalité de la surface du pic. Pour modifier l'emplacement des points de début et de fin de la zone quantifiée, faites glisser la marque vers l'emplacement approprié.


#### 8.4.5 Retirer un Clône

Pour retirer un clône, appuyer longuement sur le clône et choisir "Retirer Pic". La zone hachurée est automatiquement retirée.


### 8.5 Suppression des Artéfacts des Tracés

Les artéfacts ne sont pas courants, mais sont parfois un problème, cette fonction permet de retirer un artéfact du tracé sans modification des données.

#### 8.5.1 Suppression de Surface

Pour modifier un tracé en retirant un artéfact (jusqu'à la ligne de base), cliquer sur l'icône  et glisser sur la zone à enlever.

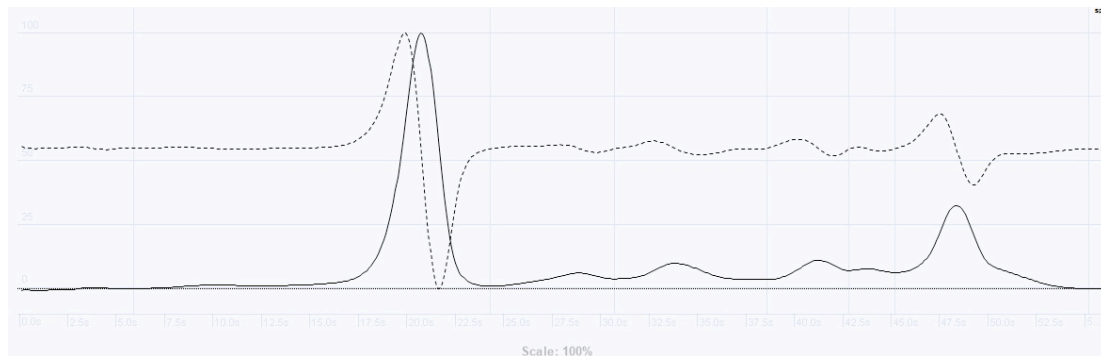
#### 8.5.2 Correction de Surface

Pour modifier un tracé en retirant un artéfact tout en conservant l'aspect de la courbe, sélectionner l'icône correction  et glisser sur la zone à supprimer. La zone est ainsi surlignée par des bandes verticales.

### 8.6 Dérivée Première

Affiche la dérivée première du tracé sélectionné. Elle est utile pour identifier de petites bandes monoclonales car elle met en évidence le taux de variation de la courbe.

Appuyer longuement sur le tracé et sélectionner "Afficher Dérivée" et la première dérivée apparaîtra sous la forme d'une ligne en pointillé. Pour la retirer, appuyer longuement sur le tracé et désactiver "Afficher Dérivée" dans le menu déroulant



## 8.7 Ajouter un Commentaire à un Résultat


Pour visualiser les commentaires d'un tracé, sélectionner la flèche vers le bas dans la liste de navigation, la fenêtre données patients s'affichera.

Les commentaires peuvent être saisis manuellement dans la section «Commentaires des patients».

Il est également possible d'ajouter des commentaires prédéfinis à la boîte de commentaires, de deux manières différentes :

- Configurer les Commentaires Standard (voir la section 9.2)
- Arbre décisionnel

### 8.7.1 Arbre Décisionnel


Pour ajouter un commentaire pré-défini à partir de l'arbre décisionnel sur un résultat, sélectionner l'icône  puis sélectionner le (s) commentaire (s) que vous souhaitez ajouter à l'aide des cases à cocher. Utiliser l'option «Ajouter sélection» pour les ajouter au tracé, puis sélectionner «Fermer». Le (s) commentaire (s) devrai(en)t maintenant apparaître dans la section «Commentaires des patients» sous le tracé.

De nouveaux commentaires peuvent être ajoutés à l'arbre décisionnel en utilisant les options «Nouveau commentaire» ou «Nouveau Décisionnel», selon que le commentaire soit lié ou non à un test. Les arbres décisionnels déjà configurés peuvent être chargés à l'aide de l'option 'Charger l'arborescence' ou l'arborescence actuelle peut être enregistrée dans un fichier à l'aide de l'option 'Enregistrer Décisionnel'..

**N.B. Les commentaires des IFE ne peuvent être ajoutés/modifiés que sur le scan d'origine.**

## 8.8 Rechercher et Lier un Résultat d'Immunotypage


Il est possible dans une seule fenêtre du Platinum de lier et d'afficher un Immunodépacement/IFE relatif a un tracé de protéines sériques d'un patient.

Sélectionner le tracé des protéines sériques du patient pour lequel un Immunotypage/IFE doit être lié, et sélectionner l'icone 'Données' , puis 'Rechercher & Lier ImmunoTypage'.

Une fenêtre de recherche apparaît. Sélectionner le bouton Recherche et après l'apparition des résultats, sélectionner les immunotypages à rattacher à la protéine sérique. Sélectionner OK. Le lien est réalisé et la fenêtre se ferme automatiquement.

## 8.9 Ajouter une ID à un Echantillon Traité

Les tubes à échantillon sans code-barres ou ceux qui ont été mal lus sont identifiables dans la liste de travail comme des N° de Dossier blanc (vide). L'utilisateur peut entrer ces informations seulement après que le V8 ait traité l'échantillon et que toutes les données aient été obtenues.

- Pour faire ceci, dans la fenêtre liste de travail sélectionner la colonne N° de Dossier de l'échantillon non identifié.
- L'utilisateur peut scanner le code-barres du tube ou saisir le N° de Dossier du tube manuellement.
- Il est également possible de saisir le code-barres de l'échantillon dans la fenêtre des résultats. Sélectionner la flèche déroulante dans la fenêtre données patient .
- Sélectionner le N° de Dossier du tube et entrer manuellement le code-barres.


## 8.10 Comment Réaliser un Test Reflex

Les tests Reflex peuvent être effectués manuellement ou automatiquement (grâce au Système Expert). Il est essentiel que le test Reflex demandé soit une réponse associée à l'analyse réalisée, comme l'Immunodéplacement est le test reflex des protéines sériques. Cela diffère d'une demande de test puisque l'analyse Reflex n'est réalisée qu'en présence d'un résultat anormal ou si une confirmation est demandée.

Se reporter à la section 9.1.2 pour l'information sur la priorité des tests Reflex.

### 8.10.1 Demande Manuelle d'un Test Reflex

Les tests Reflex manuels peuvent être demandés même si le Système Expert n'est pas actif. Pour demander un test Reflex manuellement, toutes les données d'acquisition doivent être complètes. Il est possible d'analyser, de modifier et de demander un test Reflex sur un portoir fini même si un autre portoir est en préparation ou en analyse par le système EC.


Dans la fenêtre Résultats, mettre en surbrillance le résultat de l'échantillon nécessitant une analyse complémentaire et sélectionner l'icone .

La boîte de dialogue de Demande de Tests apparaît

Sélectionner l'option Test Reflex. Dans le menu déroulant choisir "Nom du test demandé" puis sélectionner le test Reflex approprié.

S'il n'y a pas de code-barres, seulement l'identification du portoir et la position du tube peuvent être utilisées pour repérer le tube. Il est donc ESSENTIEL que les tubes ne soient pas déplacés avant que le test Reflex soit exécuté.

Si un code-barres est présent, cette information est traitée prioritairement pour la réalisation du test Reflex.

Une fois sélectionné, cliquer sur OK. En fonction du paramétrage du test Reflex sélectionné, le V8 pourra soit automatiquement réaliser l'analyse immédiatement, effectuant chaque test Reflex un par un, SOIT, l'utilisateur devra sélectionner l'icône « Autoriser les Tests Reflex » , permettant ainsi au V8 de lancer une série de tests Reflex enregistrés et réalisables uniquement sur demande.

## 8.10.2 Dilution Automatique IFE

### 8.10.2.1 Utilisation de la Fonction de Dilution Automatique IFE

La fonction d'auto-dilution IFE (immunofixation) du V8 a été conçue pour accélérer et automatiser la dilution des échantillons de protéines sériques pour l'immunofixation. En utilisant la préparation d'échantillons unique à bord du V8, en combinant le gestionnaire d'échantillons V8 et le logiciel Platinum, le système automatise la préparation de la dilution IFE de façon optimale.


Pour créer une dilution optimale, le logiciel utilise des données préexistantes pour calculer le meilleur ratio de dilution. Cette dilution est utilisée pour pipetter automatiquement à partir du tube d'échantillon dans une cupule échantillon qui est alors prête à être chargée dans un système d'électrophorèse sur gel Helena. La formule de dilution utilise la bande relative monoclonale % en relation avec le % relatif des autres bandes et à partir de ces données, on obtient une dilution appropriée.

Les dilutions d'immunofixation sont traditionnellement fournies comme des recommandations fixes pour les dilutions IFE, dépendant de la concentration en protéines de la bande monoclonale dans une gamme de concentrations. Cela nécessite que la concentration des protéines totales ou de l'albumine de l'échantillon soit disponible et ensuite appliquée à une plage de concentration, ce qui peut ne pas

toujours être idéal. Cela ne prend pas non plus en compte l'expression d'immunoglobuline polyclonale, pouvant rendre difficile la visualisation.

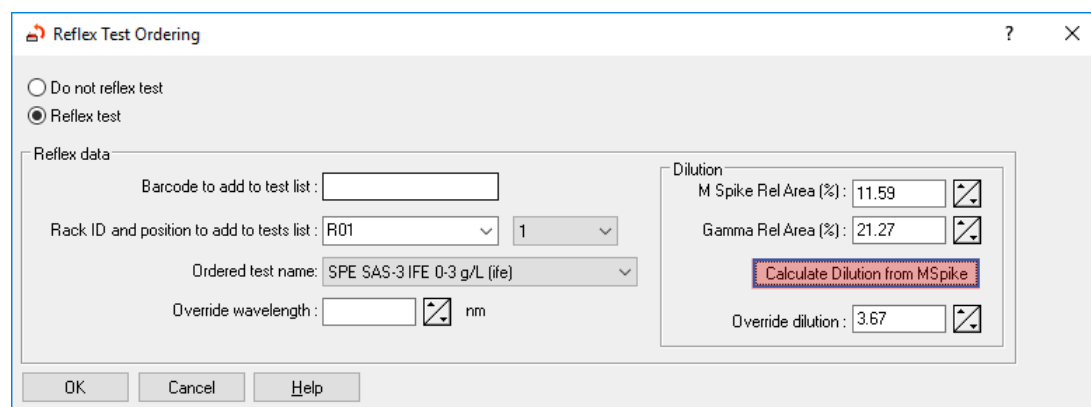
La dilution automatique IFE du V8 utilise des informations préexistantes trouvées dans le tracé électrophorétique capillaire pour adapter automatiquement la dilution pour chaque échantillon afin d'obtenir un résultat optimal. Cette fonction élimine les erreurs potentielles dans les calculs de dilution et rationalise le processus décisionnel.

#### 8.10.2.2 Utiliser la Fonction Auto-dilution IFE avec le Test Reflex

1. Sélectionner un échantillon avec un pic monoclonal et quantifier ce pic monoclonal en utilisant la fonction clone vertical/horizontal, voir section 8.4.
2. Demander un test reflex en sélectionnant l'icone Reflex Demandé  se trouvant sous l'image du tracé de l'échantillon.
3. Sélectionner [MIU] SAS-1 Auto IFE ou [MIU] SAS-3 Auto IFE (MIU = Methode en cours d'utilisation) si elle est disponible dans le menu. Sinon sélectionner "Plus Options".



4. Dans la fenêtre "Demande Test Reflex" sélectionner "Calculer Dilution du clone"



*Reflex Test Ordering window with the dilution calculated.*



- Sélectionner **OK** et le V8 prépare la dilution (en Mode Lot Prioritaire l'utilisateur doit sélectionner "**Autoriser les Lots de test Reflex**" pour commencer le test Reflex).

### 8.10.2.3 Utiliser la Fonction Dilution Automatique IFE avec la Gestion de Test

Pour les utilisateurs demandant des tests d'immunofixation sur des échantillons qui ont été testés dans une autre session Platinum:

- Sélectionner le menu **Demande**.
- Sélectionner le code-barres ou le numéro du portoir avec la position de l'échantillon à tester.
- Sélectionner le nom du test Demandé [MIU] SAS-3 IFE 0-3g/L (IFE).
- Dans la section Dilution de la fenêtre saisir le % relatif du pic monoclonal et celui des gammas pour l'échantillon requis et sélectionner "Calculer".

*Image montrant les surfaces relatives du clone et des Gamma saisies.*

- Sélectionner "Demande Test".
- Quand tous les tests sont demandés et quand les portoirs échantillons sont chargés, ils seront dilués avec les dilutions de remplacement appropriées.

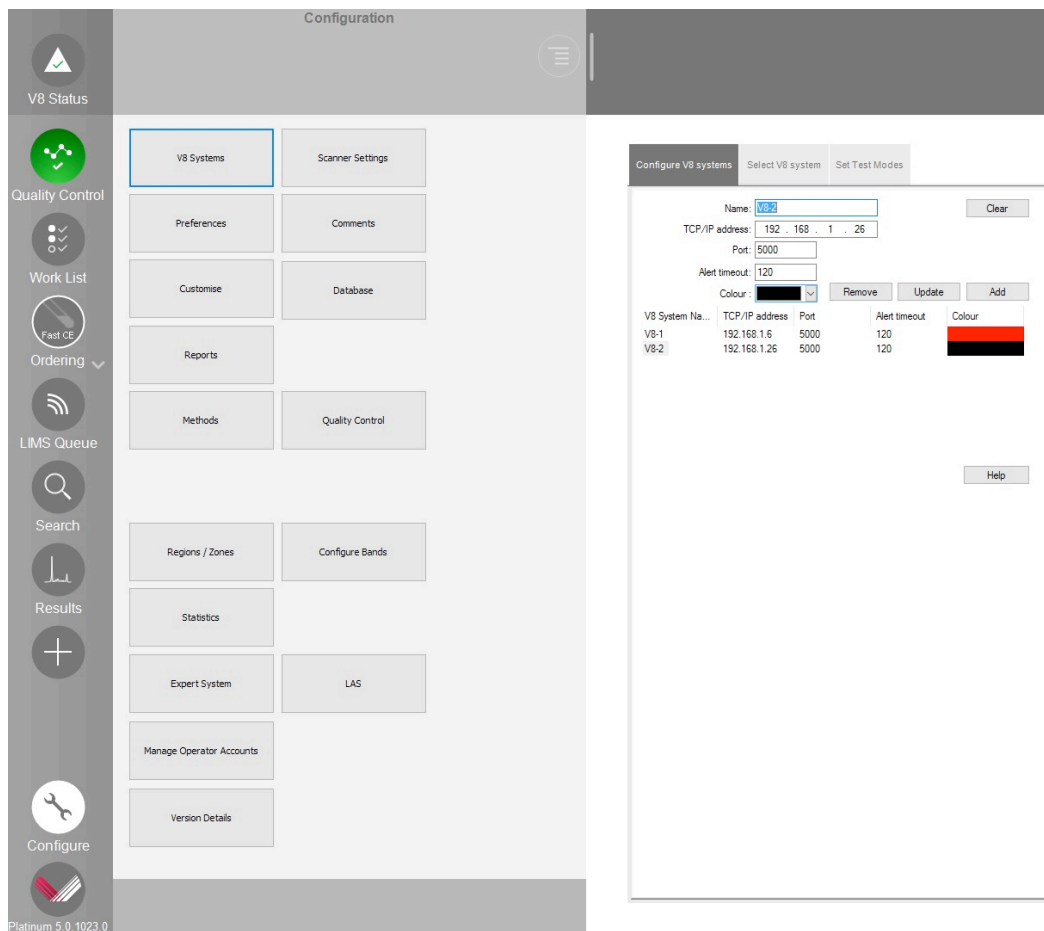
## 9. Fenêtre de Configuration

## 9.1 Système V8

Le Platinum doit être lié à l'instrument V8 qui l'utilise.

Aller à **Configurer > Système V8 > Configurer V8 Systeme**. Cela permettra aux nouveaux systèmes V8 d'être liés au Platinum, et de lister les systèmes actuel/passé qui ont été utilisés. Pour paramétrer le Platinum du V8, entrer les éléments suivants:

Section	Description	Exemple
Nom	Nommer le Système-V8. Définissable par l'utilisateur	Labm Biomedical CCE
AdresseTCP/IP:	Adresse IP du V8 unique . Contacter votre représentant Helena Biosciences pour plus d'informations	192.168.1.2
Port:	Numéro de port unique pour le V8. Contacter votre représentant Helena Biosciences pour plus d'informations	5000
Alarme perte com:	Intervalle de temps (s) avant que la fenêtre ne réapparaisse	120
Couleur	Couleur qui apparaîtra dans la barre de titre de la session active	Rouge



### 9.1.1 Sélectionner le Système V8

Cela permet à l'utilisateur d'afficher une liste de tous les systèmes V8 qui ont été liés à ce PC et d'établir une connexion entre le Platinum et le système V8. L'utilisateur peut sélectionner manuellement dans la liste le système souhaité en cas de changement d'instrument. Pour sélectionner un Système V8, aller à **Configurer > Systèmes V8> Sélectionner Système V8**.

### 9.1.2 Sélectionner le Mode Test du V8

Configure V8 systems    Select V8 system    **Set Test Modes**

☒ Single specimen type per patient  
☐ Multiple specimen types per patient

☒ Immediate retest  
☐ Rack priority retest  
☐ Complete batch retest

☒ Remove Duplicate Barcodes

Help

Le V8 possède deux modes d'utilisation (1) analyse de nouveaux échantillons, et (2) réalisation de test Reflex sur des échantillons déjà analysés.

#### Analyse de nouveaux échantillons

Dans ce mode, le V8 procédera pour tout échantillon introduit à bord, en lisant le code-barres du portoir échantillon et des tubes échantillon, et en envoyant les code-barres au Platinum pour connaître le type d'analyse à effectuer.

#### Test Reflex

Dans ce mode, le V8 n'analysera que les échantillons qui sont marqués par un test Reflex (ils apparaîtront dans la liste de test du Platinum), ou ceux qui ont été demandés individuellement. Tous les autres échantillons sur le portoir seront ignorés. Dans chacun des deux modes, il existe deux procédures d'analyse. Elles déterminent si chaque portoir sera analysé avec un seul type de méthode (type d'échantillon unique par patient) ou en multi-méthodes (type d'échantillon multiple par patient).

**N.B. Le mode de Test ne peut être changé en cours de session. Si un changement de mode est nécessaire ou la priorité d'analyse modifiée, une nouvelle session doit être ouverte.**

Pour sélectionner le mode de test

Pour sélectionner le mode de test en test Reflex, une nouvelle session de V8 doit être ouverte. Aller à **Configurer > Système V8 > Définir Mode de Test**.

### 9.1.3 Priorité des Test Reflex

La priorité du test Reflex détermine quand le V8 réalise les tests Reflex, et si ceux-ci ont été demandés manuellement ou automatiquement.

Il y a trois modes de priorité du test Reflex : Immédiate, Priorité portoir et Série.

- 'Re-test Immédiat' réalisera chaque test demandé immédiatement en déplaçant le portoir dans l'aire de préparation de l'échantillon en priorisant la demande sur les autres analyses.
- 'Re-test par Priorité de Portoir' retardera le test jusqu'à ce qu'il n'y ait plus d'autres portoirs présents pour réaliser l'analyse par défaut. Si d'autres

portoirs sont chargés pendant l'analyse du test reflex, le V8 reprendra la méthode par défaut.

- 'Re-test en fin de série' gardera tous les tests demandés jusqu'à ce qu'ils soient déclenchés par l'utilisateur.

## 9.2 Commentaires

Il est possible dans le Platinum de prédéfinir des commentaires qui pourront être ensuite ajoutés à chaque enregistrement.

### 9.2.1 Rédaction des Commentaires Usuel

Aller à **Configurer > Commentaires**.

Configure Standard Comments

Index	Comment
1	Normal
2	Small monoclonal
3	Large Monoclonal
+	

Help Load... Save...

Entrer le texte approprié dans la colonne marquée commentaire. En fin de saisie, cliquer sur Enregistrer. Il existe une option 'Charger' pour importer les commentaires usuels précédemment configurés, ainsi qu'une option 'Enregistrer' afin que les commentaires puissent être enregistrés en externe.

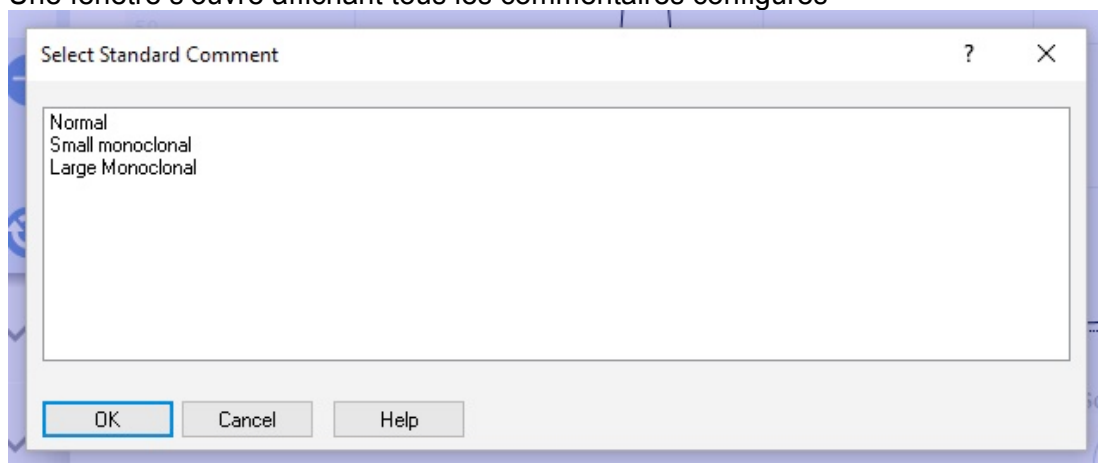
Pour ajouter ces commentaires à un résultat, sélectionner d'abord le tracé puis afficher la fenêtre données patient en sélectionnant la flèche à droite de la liste de travail:

	7	5214077371	SPE	10 January 2013	▼
	8	5214074998	SPE	10 January 2013	▼
	9	5214070460	SPE ID {G, A, M, K, L}	10 January 2013	▼

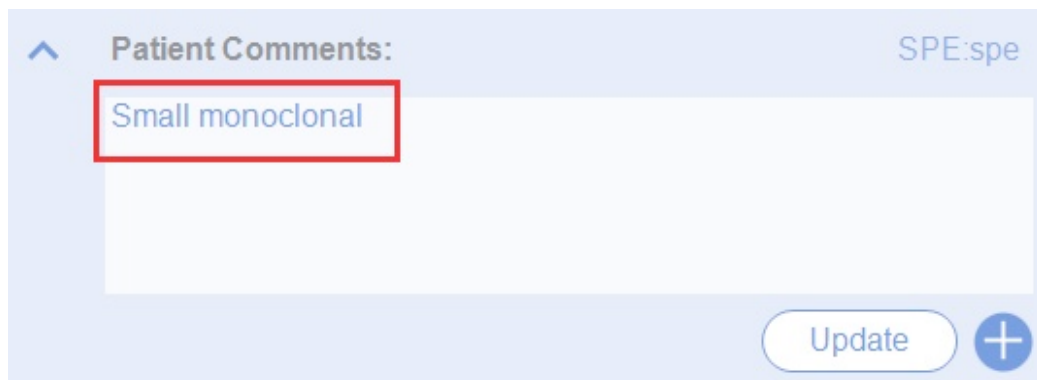
Sous la section 'Commentaires Patient', sélectionner le petit icône '+' et sélectionner 'Ajouter Commentaire':



Une fenêtre s'ouvre affichant tous les commentaires configurés



Sélectionner le commentaire à ajouter à la section Commentaires puis 'OK'. Le commentaire apparaît dans la section 'Commentaires des patients':



### 9.3 Base de Données

La base de données du Platinum enregistre toutes les données exécutées et importées.

### 9.3.1 Sauvegarder de Nouvelles Données

Pour sauvegarder des nouvelles données dans le Platinum, aller à **Configurer > Base de Données > Sauvegarde: Nouveau & Modifié**.

### 9.3.2 Sauvegarde de Toutes les Données

Pour faire une sauvegarde de toutes les données dans le Platinum, aller à **Configurer > Base de Données > Sauvegarde: Toutes Sessions**.

### 9.3.3 Archivage de Données Sélectionnées

Pour archiver certaines données du Platinum, aller à **Configurer > Base de Données > Archiver Données Sélectionnées**.

### 9.3.4 Compacter la Base de Données

Pour compacter la base de données, aller à **Configurer > Base de Données > Compacter Base de Données**.

## 9.4 Rapport d'impression

Les résultats des échantillons patients peuvent être imprimés à l'aide du rapport d'impression pour une utilisation par le clinicien. Des trames de présentation peuvent être créées et modifiées en fonction du type et des préférences d'analyses.

### 9.4.1 Création d'un Nouveau Rapport

Pour créer un nouveau rapport, aller à **Configurer > Rapports** et sélectionner l'icône




. Cela ouvre une trame vierge de rapport avec toutes les fonctions disponibles et nécessaires pour la création d'un nouveau rapport d'impression.


### 9.4.2 Comment Créer une Trame

Lorsqu'une trame est créée, une page blanche est affichée avec sur la partie gauche les boutons d'outils. L'utilisateur peut choisir quel type de résultat doit être présenté, où le positionner et les données démographiques affichées. Les données comme les valeurs des fractions et les immunodéplacements peuvent aussi être ajoutés.

### 9.4.3 Modifier un Rapport

Pour modifier le rapport de la méthode par défaut, choisir l'icône  et ouvrir le rapport que vous souhaitez modifier.

### 9.4.4 Aperçu Ecran d'un Rapport

Pour faire un aperçu avant impression, choisir l'icone Imprimer  et sélectionner "Aperçu Rapport des Résultats Sélectionnés...".

Il est possible dans le Platinum, de créer entièrement tous les rapports d'impression, cependant Helena Biosciences fournit des rapports type que chacun peut personnaliser selon ses propres besoins.

#### 9.4.5 Configuration des Rapports d'Impression par Défaut

Il est important de définir des rapports d'impression type pour tous les résultats des rapports séparés pour les Protéines Sériques et les Immunodéplacements peuvent être configurés. Lorsque l'utilisateur imprime un rapport, le Platinum sélectionnera automatiquement pour l'impression celui des Protéines Sériques jusqu'à ce qu'un Immunodéplacement soit lié à cet échantillon, dans ce cas le rapport d'impression des Immunodéplacements sera imprimé. Pour définir les rapports d'impression:

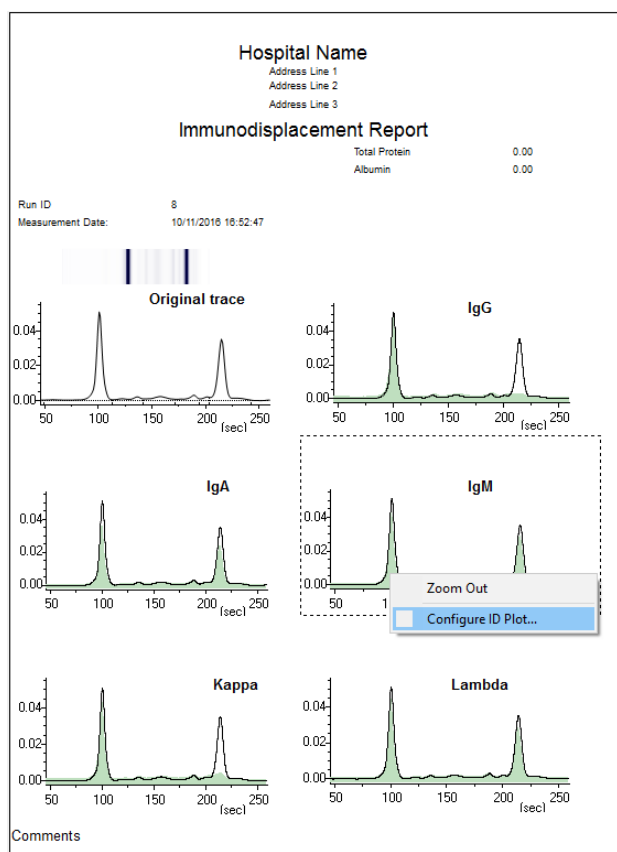
- Aller à **Configurer > Configurer Bandes** et dans la section Rapports liés vérifier que l'option "Pas de Rapport" est décochée.
- Sélectionner le bouton '...' à côté de Définition Rapport – il s'agit de sélectionner en premier le rapport d'impression des Protéines Sériques sans les ID. L'emplacement par défaut des rapports est : C:\Program Files\Platinum.
- Répéter la sélection pour le rapport des ID.
- Cette définition des rapports d'impression sera appliquée seulement pour le résultat sélectionné.
- Si vous voulez l'appliquer pour tous les futurs résultats, répéter la sélection en allant dans **Configurer > Méthodes > Type Méthode**.

#### 9.4.6 Configuration des Rapports d'Impression pour les ID

Les rapports ID sont élaborés pour faciliter l'interprétation.

Ils peuvent être facilement personnalisés par l'utilisateur, en appuyant longuement sur le tracé individuel et en sélectionnant "Configurer ID Courbe".





Chaque tracé individuel sur le rapport d'impression peut être adapté selon les préférences de l'utilisateur et les exigences.

**ID plot configuration**

☒ Plot main trace

ID plot items:

1	IgG	1
+		

☒ Match shapes before plotting

☒ Fill second trace

☐ Show method name

☒ Copy settings to report definition

## 9.5 Configurer les Méthodes V8

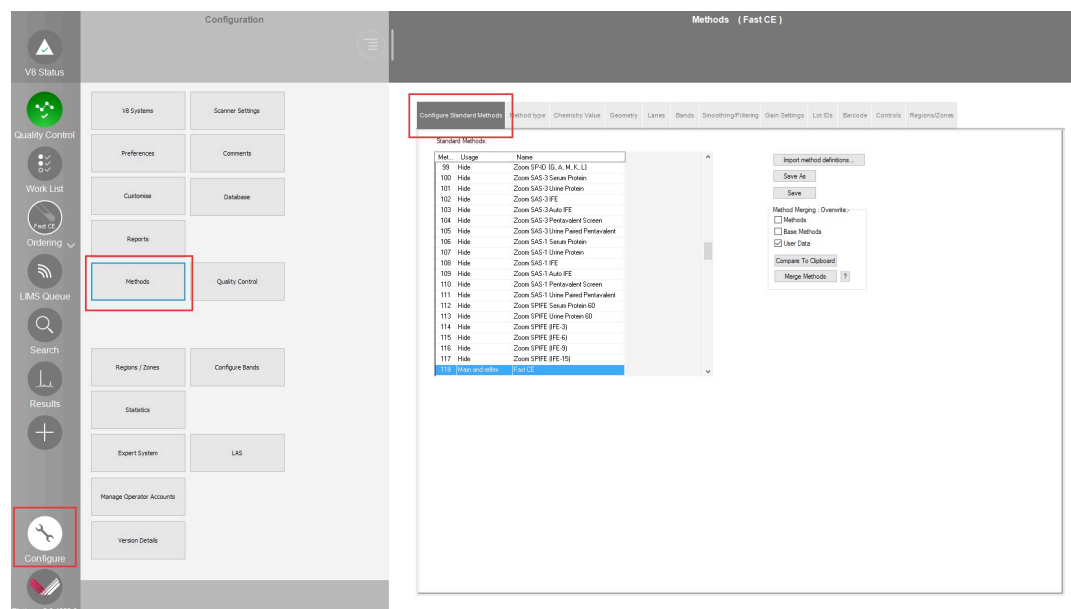
Dans le Platinum, il est possible de définir certains modèles utilisés pour chaque analyse. Ces modèles sont utilisés pour définir les valeurs normales de chaque fraction, le lissage par défaut, le niveau de filtrage et d'autres facteurs modifiables.

## 9.6 Méthodes

Aller à **Configurer > Méthodes > Configurer Méthodes Standard**.

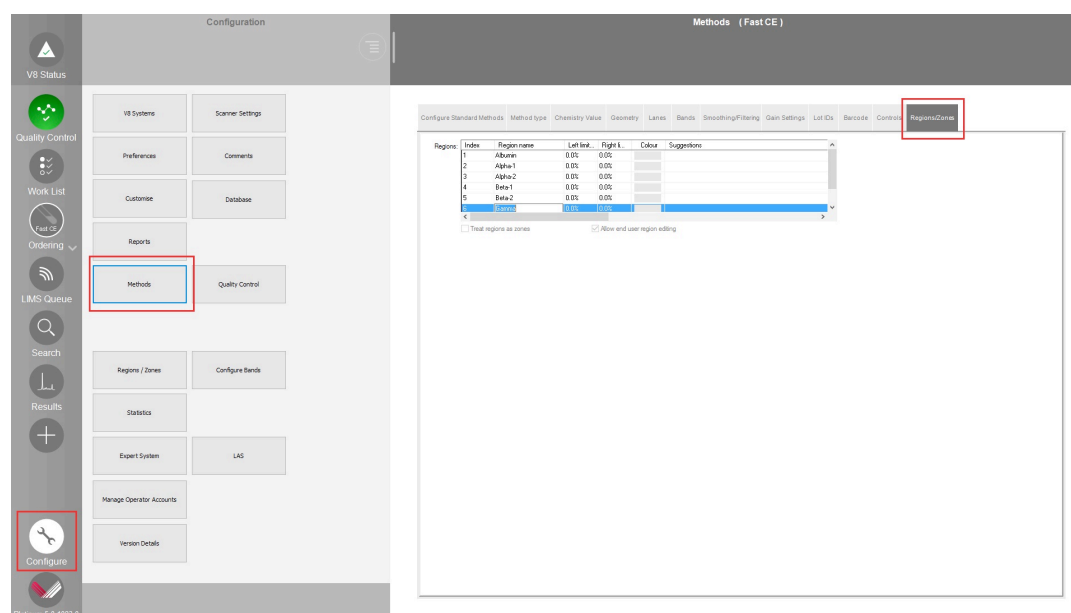
Dans cette fenêtre, sélectionner la méthode que vous désirez configurer. Dans ce menu, il existe également une colonne « Utilisation » qui permet de choisir entre « Cacher » ou « Afficher ».

Après sélection de la méthode, 11 onglets concernant les différentes options sont disponibles. Il est recommandé d'en laisser la majorité avec les valeurs par défaut.



### 9.6.1 Régions des Fractions


Aller à **Configurer > Méthodes > Régions/Zones** et entrer les noms et valeurs normales des régions. Les suggestions de bande(s) apparaissant dans cette région peuvent également être ajoutées dans la colonne appropriée.



Pour sélectionner des régions en fonction du tracé affiché, aller à **Configurer > Régions/Zones**.

## 9.7 Statistiques

Avec le Platinum il est possible de calculer des statistiques basiques sur les données et de, soit les imprimer, soit les visualiser à l'écran.


Pour comparer des données de multiples échantillons, il est nécessaire que toutes ces données soient dans la même fenêtre d'analyse, soit sur une même image de gel, soit comme une recherche dans la base de données. Pour sélectionner tous les échantillons à analyser, sélectionner l'icone  puis "Sélectionner Tout".

Pour afficher le calcul statistique après sélection des échantillons, aller à **Configurer > Statistiques**.

L'index de chaque fraction est affiché dans la colonne index avec entre parenthèse le nombre d'échantillons. Le nom de chaque fraction apparaît dans la colonne fraction et les colonnes suivantes sont définies dans l'onglet fraction, dans **Configurer > Préférences**. Ces colonnes sont utilisées pour afficher la moyenne, l'écart type et le CV, et ceci pour les surfaces, les pourcentages ou les concentrations.

## 10. Sessions Gel

### 10.1 Sélectionner le type de Gel


Aller à fenêtre des demandes permet à l'utilisateur de choisir le type de gel qui va être scanné avec sa taille et sa configuration de fractions. Une session de gel doit déjà avoir été ouverte par l'icone  pour permettre la sélection de la méthode de gel.

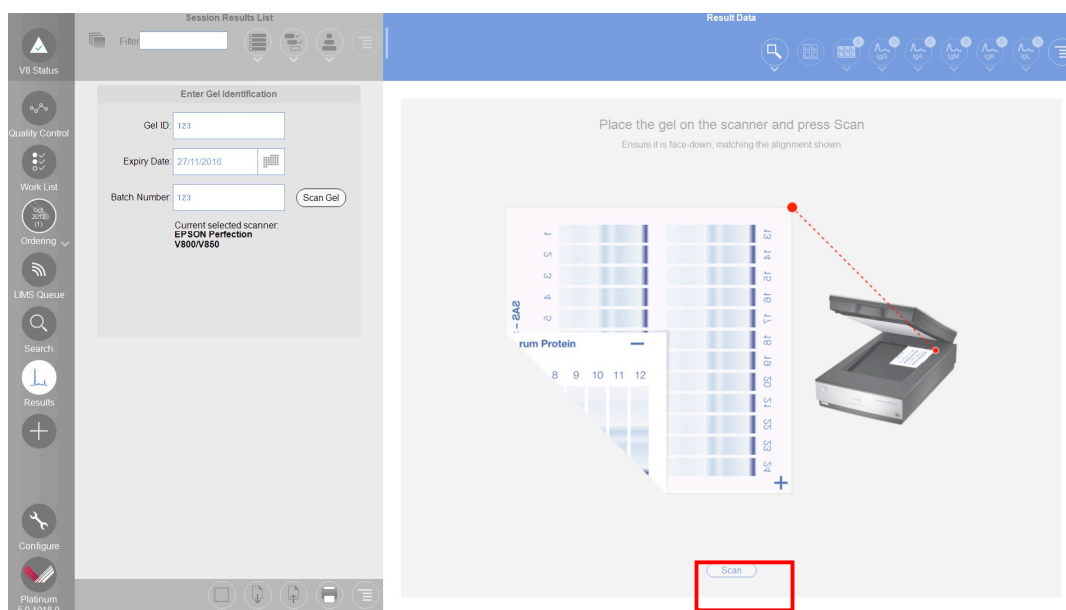
### 10.2 Configuration des Paramètres de lecture

### 10.3 Sélectionner un Scanner

L'utilisateur peut choisir le scanner qui va être utilisé pour l'importation des images du gel dans le Platinum. Toutes les sources de lecture connectées à l'ordinateur sont listées dans **Configurer > Paramétrages Scanner > Sélection Scanner**.

### 10.4 Numérisation du Platinum

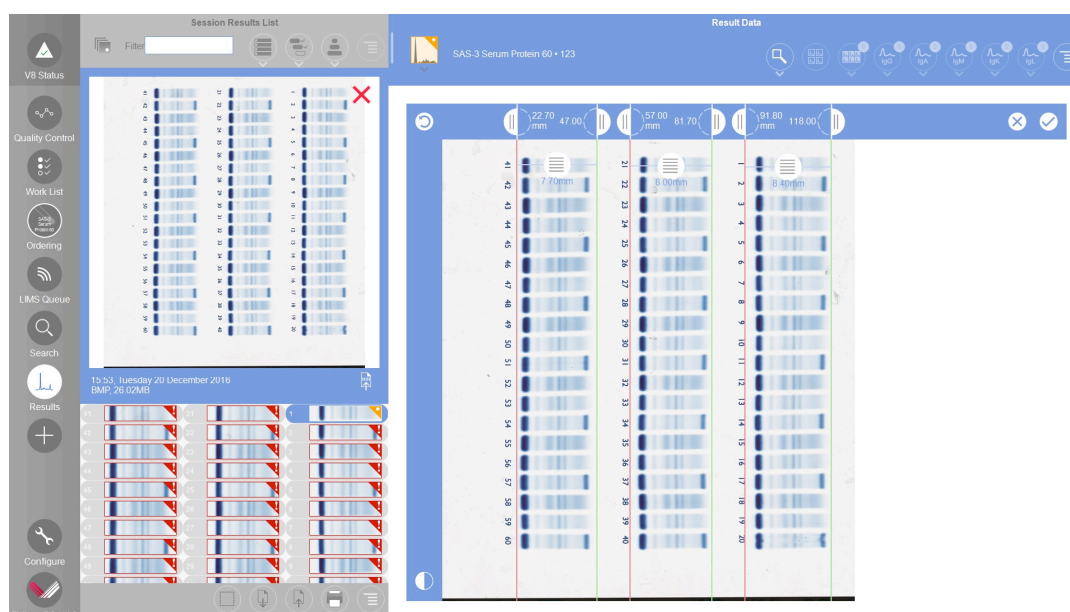
En ouvrant une nouvelle session de gel par l'icone , vous verrez apparaître un bouton "Scan Gel" permet au Platinum de lire le gel placé dans le scanner par défaut. Afin d'assurer la traçabilité des données, un Numéro de gel doit être saisi (entré ou scanné) dans la fenêtre avant que la lecture ne commence.



## 10.5 Alignement du Masque de Lecture

Le Platinum applique automatiquement un masque de lecture à l'image du gel. Cela représente les surfaces du gel à partir desquelles les données doivent être analysées. Il existe plusieurs types de masques de lecture dans le menu gel en fonction de la taille du gel et du nombre d'échantillons. Par ce fait, il se peut que le masque de lecture nécessite de petits ajustements individuels.


Si l'alignement du gel nécessite un ajustement, sélectionner le gel dans la liste de travail, dans la partie gauche de l'écran, afin d'afficher la fonction 'Aligner Gel' :



Pour chaque rangée, deux lignes verticales à gauche(rouge) et à droite(verte) de la migration déterminent respectivement le début et la fin de lecture et une ligne horizontale indique le milieu de la première migration. Chaque ligne peut être ajustée manuellement. Les valeurs affichées sont en millimètres (mm), et indiquent la distance à partir de l'axe du gel.



## 10.6 Marquage du Gel

Pour voir si un modèle correspond correctement à une image numérisée, utiliser l'icône  pour superposer un masque à l'image du gel. Ceci permet de vérifier l'alignement des échantillons, qui peuvent être corrigés en utilisant la fonction d'alignement du gel.

## 10.7 Configurer les Gels

Dans le Platinum, il est possible de configurer les modèles qui sont utilisées pour chaque analyse. Ces modèles sont utilisés pour définir les valeurs normales de chaque fraction, le lissage par défaut, le niveau de filtrage et d'autres facteurs modifiables.

## 11. Dictionnaire des Icones du Logiciel

## 11.1 Icones de la Fenêtre Principale



Page d'Accueil



Attention



Connecté au V8



Non Connecté au V8



Fenêtre Contrôle Qualité



Contrôle Qualité Echoué



Contrôle Qualité Hors dates



Contrôle Qualité Accepté



Contrôle Qualité Non défini



Liste de Travail



Fenêtre de Recherche



Fenêtre Demande



Fenêtre Fichier Tampon SIL



Fenêtre Resultats



Nouvelle session



Fenêtre Configuration

## **11.2 Icones Générales (Icones apparaissant dans plusieurs fenêtres)**



Effacer



Annuler



Refaire



Sauvegarder



Imprimer



Ouvrir



Sélectionner



Afficher en Gels



Afficher en Liste



Afficher en Tracés






















Trier



Date



Chargés Données Sources

-  Réinitialiser le Zoom
-  Réduire
-  Agrandir
-  Zoom
-  Tracé
-  IgM Montrer IgM Attachée
-  IgL Montrer IgL Attachée
-  IgK Montrer IgK Attachée
-  IgG Montrer IgG Attachée
-  IgA Montrer IgA Attachée
-  Montrer IFE Attachée
-  Montrer Tous Attachés
-  Image IFE
-  Fenêtre Immuno
-  Image Gel
-  Fractions
-  Copie
-  Afficher
-  Fenêtre Données Patient

### **11.3 Icones de la Page d'Accueil**





Langue



Aide

5

Manuel de l'Utilisateur Platinum/Manuel de l'Opérateur



Sortie



Activation du Produit

#### **11.4 Icones Statut du V8**



Réinitialiser Connexion



Démarrer/Arrêter Enregistrement



Traduire Statut



Afficher Horaire



Afficher Données Système



Afficher Données de Performance



Afficher l'Index



Afficher Caractères de Fin de Ligne



Actualisé

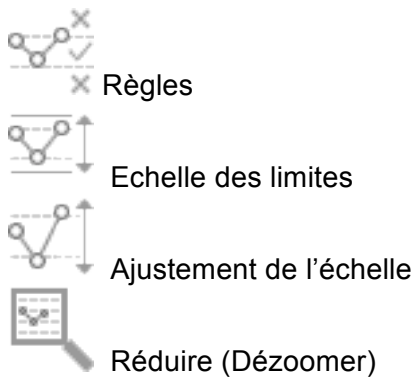


Capillaire Désactivé

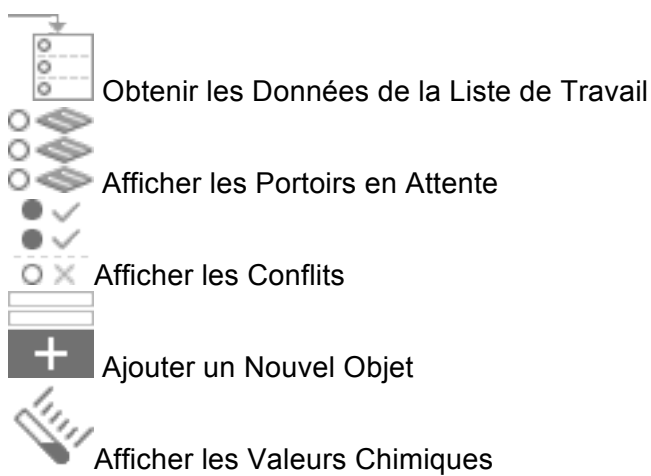


Capillaire Activé

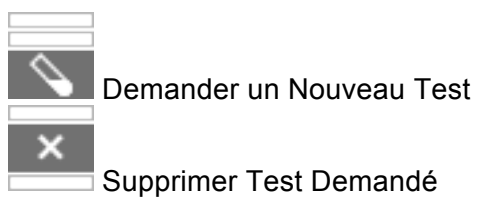
#### **11.5 Icones Contrôle Qualité**



### **11.6 Icones de la Liste de Travail**



### **11.7 Icones des Demandes**



### **11.8 Icones Fichier Tampon SIL**





Validé



Validation de l'Envoi au SIL



Annuler Validation de l'Envoi au SIL

### **11.9 Icones de Recherche**



Nouvelle Recherche

### **11.10 Icones de Résultats/Résultats de Recherche**



Données



Réinterpréter Tracé



Copier



Reflex en utilisant la méthode par défaut du test reflex



Lancer Reflex



Autoriser Tests reflex en série



QC



SIL



Ajouter au fichier tampon du SIL



Retirer du fichier tampon SIL














Envoyer au SIL










Editer



Nouvelle Demande

-  Comparaisons
-  Echantillon
-  Contrôle Normal
-  Contrôle Anormal
-  Marquer comme Indéterminé
-  Marquer comme Normal
-  Marquer Automatiquement
-  Marquer comme Anormal
-  Lier
-  Lier tracé
-  Détacher tracé

### **11.11 Icones Autres Résultats**

-  Ajuster
-  Supprimer Surface
-  Corriger Surface
-  Edition de pics
-  Assembler Tracés
-  Lissage/Filtrage
-  Edition Ligne de Base



Retirer Ajustement



Session Modifiée



Sessions



Sortir de Session

### **11.12 Icones Gel**



Exporter image



Appliquer



Annuler



Marquer



Revenir en Arrière

### **11.13 Icones de Navigation de la liste de travail**



Reflex terminé



Test reflex en attente



Demande test reflex



QC à Regarder



QC Accepté



Envoyé au SIL



Validé envoyé au SIL



En attente d'envoi au SIL



SIL Approuvé





















Système Expert : Avertissement






Système Expert : Echantillon Normal



Système Expert : Pas de Résultat

-  Système Expert : Manque Fraction
-  Système Expert : Trop de Fractions
-  Système Expert : Mauvais résultat
-  Système Expert : Test Reflex
-  Pas de résultat dans la base de données
-  Résultat monoclonal précédemment dans la base de données
-  Résultat normal précédemment dans la base de données
-  Résultat anormal précédemment dans la base de données
-  Tracés liés
-  Méthode par défaut
-  Par Identification de Tube
-  Par Emplacement
-  Demande SIL
-  Echech Résultat
-  Pas de Code-barres
-  Archivé
-  Exécuté
-  Arbre Décisionnel

#### **11.14 Icones de Progression**

-  Préparation Echantillon
-  Electrophorèse en cours
-  Analyse